



## Molecular Investigation of Tomato Yellow Leaf Curl Virus (TYLCV) and Identification its Isolates Disseminated in some Tomato Protected Culture in Al-Qadisiyah Province.

H. H. Shobber\*

N. Al-Kuwaiti

University of Baghdad / College of Agriculture

### Submission Track

Received : 16/3/2017

Final Revision : 11/5/2017

### Keywords

Phylogenetic Tree, Plant  
Viruses, Coat Protein

### Corresponding

N.Alkuwaiti@coagri.uobaghd  
ad.edu.iq

### Abstract

This study aimed at conducting a molecular investigation of some virus isolates associated with tomato yellow leaf curl disease (TYLCD). Ten tomato samples exhibiting TYLCD are collected from fields and tunnel at certain tomato growing area in Al-Qadisiyah Province (El-HamzaEl-Sharqi district, Al-Sadeer and Al-Sunnia).. Begomoviruses are investigated by Polymerase chain reaction (PCR) using Deng a genus specific primer set in symptomatic samples. The amplified DNA fragments of expected size are sequenced, analyzed and compared to equivalent Gene Bank sequences using MEGA6 software. PCR technique using Deng primers could detect begomoviruses when amplified the 540 bp DNA fragments from 6 out of 10 symptomatic tomato samples. Sequence analysis shows that sequences obtained shared 96 - 99.5% nucleotide (nt) sequence identities with *Tomato yellow leaf curl virus* (TYLCV) equivalent Gene bank coat protein CP sequences from Cuba (AJ223505), USA (AY530931) and Israel (AB110217). Neighbor-Joining phylogenetic tree constructed from partial coat protein region confirmed the relatedness when grouped all sequences obtained to equivalent sequences belong to TYLCV from Gen Bank but not to other begomovirus species. Sequence comparison shows that TYLCV isolates are variable when share nt sequence 91-100% (approximated) to each other's, which indicates that sequences isolated may belong to different TYLCV strains. The high nucleotide sequence identities suggests that TYLCV may have been introduced to Al-Qadisiyah Province through infected plant materials, however full length sequence comparisons and biological assays are required to confirm this relatedness and resolve the possible origin of TYLCV isolates in Al-Qadisiyah Province.

### المقدمة

تعد الطماطة *Solanum lycopersicum* من أكثر محاصيل الخضار شيوعاً في العراق إذ تأتي بالمرتبة الأولى من بين محاصيل الخضار من حيث المساحة المزروعة والإنتاج سنوياً (Omer 2011، CSO 2016). تزرع الطماطة في معظم مناطق العراق على مدار السنة في الحقول المكشوفة والمزارع المحمية لما يمثله من قيمة غذائية ومصدراً للدخل (Al-Kuwaiti 2013). لقد دأبت الجهات الزراعية المعنية في العراق على تطوير هذا المحصول وزيادة إنتاجه لما يمثله من قيمة اقتصادية في الوقت الحاضر و دخوله في مجال التصنيع الغذائي (Soppe & Saleh 2012). بلغ إنتاج العراق من محصول الطماطة 903,809 و 770,564

338,674 طن وفق إحصائيات منظمة الأغذية والزراعة FAO للأعوام 2013 و 2014 و 2015 على الترتيب (CSO 2016، FAO 2017). تزرع الطماطة في محافظة القادسية على نطاق جيد إذ وصلت المساحة المزروعة حوالي 200 دونم بين مغطاة كأنفاق وبيوت محمية (Anonymous 2016). بلغ إنتاج الطماطة في محافظة القادسية عام 2010 بحدود 1800 طن من مجموع الإنتاج الكلي من العراق البالغ 1,013,177 طن (Al-Fahad & Abbas 2011). تعد الفايروسات أهم المشاكل التي تواجه زراعة الطماطة في البيوت المحمية إذ تؤدي الإصابة الفايروسية إلى خفض إنتاج المحصول ونوعيته نظراً لصعوبة



الفايروس المسبب في محافظة القادسية، فقد هدفت هذه الدراسة إلى إجراء تشخيص جزيئي لمرض التجعد والاصفرار على اوراق الطماطة باعتماد تقنية PCR و بواديء متخصصة بمجموعة فايروسات begomoviruses ومن ثم تحديد النوع او الانواع الفايروسية المسببة لهذا المرض في محافظة القادسية من خلال تحليل التتابعات النيوكليوتيدية ومقارنتها مع نظيراتها المتوفرة ومن ثم ايداعها في بنك الجينات لغرض توفير معلومات جزيئية حول هذا الفايروس في العراق.

### المواد وطرائق العمل

جمع العينات  
جمعت عينات طماطه تظهر عليها اعراض التجعد والاصفرار من مواقع مزرعة نباتات الطماطة داخل البيوت المحمية والانفاق للموسم 2015-2016 ضمن قضاء الحمزة وناحيتي السدير وغماس في محافظة القادسية ثم نقلت الى مختبر امراض النبات في قسم وقاية النبات / كلية الزراعة/ جامعة بغداد وحفظت بدرجه حرارة 4°سيليزيه لغاية اجراء التجارب اللاحقة.

الفحص الجزيئي لعينات الطماطه المصابة  
تم اجراء جميع خطوات الفحص الجزيئي في مختبر شركة جسر المسبب المتخصصة بتجهيز العدد التشخيصية الخاصة بالفحص الجزيئي الواقعة في منطقة الجادرية - بغداد وعلى النحو الآتي:-

استخلاص DNA نباتات الطماطه المصابة  
اجريت عملية استخلاص الحامض النووي الكلي DNA من 10 عينات اوراق طرية جمعت من نباتات طماطه تظهر عليها أعراض تجعد واصفرار باستعمال عدة استخلاص تجارية خاصة باستخلاص DNA الكلي للنباتات AccuPrep® GMO DNA Extraction Kit تم الحصول عليها من شركة Bioneer الكورية الجنوبية على وفق الطريقة القياسية الموصفة من الشركة المصنعة. تم تحديد الكفاءة النوعية للحامض النووي DNA الناتج من عملية الاستخلاص بواسطة الفحص بجهاز قياس الطيف الضوئي Nanodrop ومن خلال عملية الترحيل الكهربائي. مضاعفة الحامض النووي الفايروسي باستعمال تقانة تفاعل إنزيم البلمرة المتسلسل (PCR) Polymerase Chain Reaction

اجري فحص PCR على DNA عينات الطماطه الذي تم استخلاصه في الفقرة السابقة باستعمال عدة فحص Accu Power PCR Pre Mix تم الحصول عليها من شركة Bioneer الكورية الجنوبية وبإدئين متخصصين بالمجموعة Begomovirus تسلسلها النيوكليوتيدي (5'-TAATATTACCKGWKGVCCSC-3') و (5'-TGGACYTTRCAWGGBCCTTCA-3') للإدائ Deng A (F) الامامي و الخلفي Deng A (R) على الترتيب والذين تم تصميمهما من قبل (Deng et al 1994) صنعت من قبل الشركة الكورية نفسها، و بإتباع طريقة العمل الموصفة من قبلها. استعملت ظروف تفاعل تقانة PCR

السيطرة عليها . ان مرض تجعد واصفرار اوراق الطماطه Tomato Yellow Leaf Curl Disease (TYLCD) من اهم الأمراض الفايروسية التي تصيب الطماطه في الزراعة المحمية التي تسبب خسائر كبيرة جدا في منطقة الشرق الأوسط عامة وفي العراق خاصة ( Glick et al 2009 ) وهي أكثر انتشارا في المناطق المعتدلة من العالم (Brown 2009) .

عالمياً تم تسجيل أكثر من عشرة فايروسات تسبب أعراض التجعد والاصفرار على الطماطه تعود جميعها إلى مجموعة فايروسات الفاصوليا الذهبية Begomovirus العائد إلى عائلة Geminiviridae (Diaz-Pendon et al 2010) . سجل مرض تجعد واصفرار الطماطه لأول مرة في فلسطين المحتلة من قبل Cohen و Harpaz عام (1964) وتم تحديد المسبب المرضي الذي يسببه فايروس غير مسجل سابقا سمي Tomato yellow leaf curl virus (TYLCV) وان هذا الفايروس يصيب الطماطه والذاتورا ( Cohen & Harpaz 1964) . ينقل فايروس تجعد واصفرار الأوراق على الطماطه بوساطة الذبابة البيضاء Bemisia tabaci بكفاءة عالية ، إذ إن حشرة واحدة تستطيع اكتساب الفايروس ونقله إلى نباتات طماطه اخرى (Diaz- Glick et al 2009) . (Pendon et al 2010) .

كما سجل مؤخراً امكانية انتقال فايروس التجعد والاصفرار على اوراق الطماطه بوساطة بذور الطماطه ( Kil et al 2016) .تظهر على نباتات الطماطه المصابة أعراض تقزم شديد للنباتات والتفاف حواف الأوراق نحو الأعلى والأسفل واصفرار حواف الأوراق وبين العروق وصغر حجم الأوراق ويسبب الفايروس خسائر كبيرة في محصول الطماطه قد تصل إلى 100% إذا حصلت الإصابة مبكراً ( Glick et al 2009) .

يشكل فايروس تجعد واصفرار الأوراق على الطماطه مشكلة كبيرة في البيوت المحمية وفي الحقول المكشوفة إذ يعد محددًا لزراعة هذا المحصول في العراق (Al-Fadhil 2012) . اجريت العديد من الدراسات في العراق بهدف تشخيص الفايروس و تحديد المدى العائلي للفايروس والعوائل التي يمكن ان تمثل مصدرا لإصابة الطماطه وتحديد الناقل وطريقة النقل (Al-Fadhil 2012، Al-Ani et al 2011) كونها إحدى النقاط الأساسية لتحديد طريقة ملائمة وكفوءة لمقاومته.

تم تطبيق تقانة Polymerase chain reaction (PCR) في تشخيص مجموعة فايروسات begomoviruses باستعمال بواديء متخصصة بالمجموعة لأول مرة من Deng وآخرون عام (1994) (Deng et al 1994) . شخص فايروس التجعد والاصفرار على اوراق الطماطه مؤخراً في العراق على المستوى الجزيئي باستعمال برايمرات متخصصة بالجنس وتم تحديد التسلسل القاعدي الكامل لجينومه من قبل AI-Kuwaiti وآخرون عام (2013) (AI-Kuwaiti 2013) .

كذلك شخصت سلالات فايروس تجعد واصفرار اوراق الطماطه على المستوى الجزيئي باستعمال بواديء متخصصة (AI-Jubouri 2014) ولكن لم يتم تحديد تسلسل القواعد النيتروجينية لحامضها النووي.

نظراً للخسائر العالية التي يسببها مرض التجعد والاصفرار على اوراق الطماطه و لعدم وجود دراسة جزيئية لتشخيص

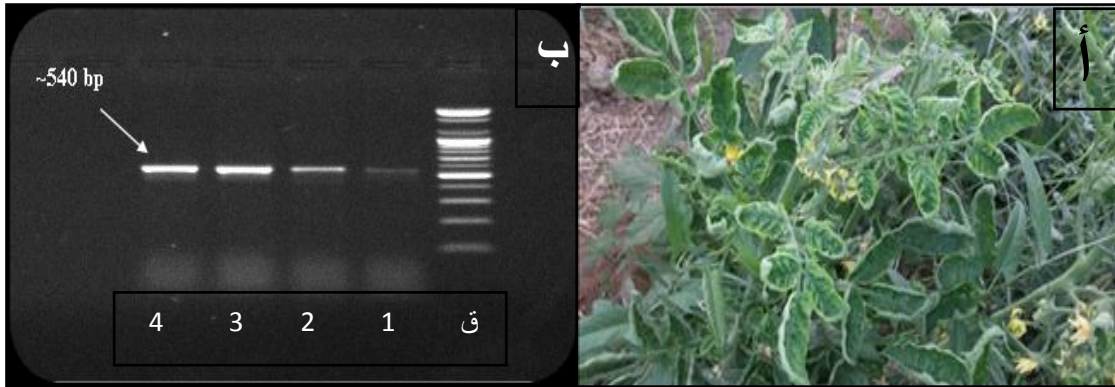


الموصوفة من قبل (Deng et al 1994) مع تحوير طفيف في درجة ربط البوداي والتي هي على درجة 56 ° سيليزية لمدة 30 ثانية بدلاً من 58 ° سيليزية. تم الكشف عن قطع DNA الناتجة من عملية تضاعف PCR بواسطة الترحيل الكهربائي على هلام الاكاروز بتركيز 2.5% حاو على 3 مايكروليتر ائيديوم برومايد (EtBr) Ethidium bromide بتركيز 0.5 مايكروغرام/ مل لمدة 30 دقيقة على 125 ملي أمبير والتي تم وصفها من قبل ( Sambrook & Russell 2006). تم تظهير الهلام باستعمال جهاز الأشعة فوق البنفسجية والتصوير بجهاز توثيق الهلام Major science gel documentation system من شركة Major science USA.

الموصوفة من قبل (Deng et al 1994) مع تحوير طفيف في درجة ربط البوداي والتي هي على درجة 56 ° سيليزية لمدة 30 ثانية بدلاً من 58 ° سيليزية. تم الكشف عن قطع DNA الناتجة من عملية تضاعف PCR بواسطة الترحيل الكهربائي على هلام الاكاروز بتركيز 2.5% حاو على 3 مايكروليتر ائيديوم برومايد (EtBr) Ethidium bromide بتركيز 0.5 مايكروغرام/ مل لمدة 30 دقيقة على 125 ملي أمبير والتي تم وصفها من قبل ( Sambrook & Russell 2006). تم تظهير الهلام باستعمال جهاز الأشعة فوق البنفسجية والتصوير بجهاز توثيق الهلام Major science gel documentation system من شركة Major science USA.

**النتائج والمناقشة**  
الاختبار الجزيئي لمجموعة الفايروسات التوأمية begomoviruses على الطماطه  
التفاعل المتسلسل لأنزيم البلمرة Polymerase Chain Reaction(PCR)  
اظهرت نتائج فحص PCR باستعمال طقم بادني Deng تفاعلاً إيجابياً مع عينات الطماطه المفحوصة إذ تم الحصول على قطع DNA ذات وزن جزيئي 540 زوجاً قاعدياً تقريباً من ست عينات طماطه من أصل 10 ظهرت عليها اعراض مرض التجعد والاصفرار(شكل1)، مما يشير الى اصابتها بفايروسات تعود لمجموعة begomoviruses، إذ أن هذا الطقم ذو تخصص عالي .

تحليل التتابعات النيوكليوتيدية لفايروسات الطماطه :  
أرسلت نواتج عملية تضاعف PCR إلى شركة Bioneer الكورية لتحديد التتابع النيوكليوتيدي لقطع DNA ذات الوزن الجزيئي المتوقع باتجاهين 3' و 5'. تم تحليل التسلسلات الناتجة بواسطة برنامج الحاسوب 6 MEGA (Tamura et



شكل 1. اصابة طبيعية بمرض التجعد والاصفرار على نبات الطماطه مزروع في البيوت البلاستيكية في قضاء الحمزة / مقاطعة 8 عزيز الله مزرعة السيد رياض فاضل الموسوي .

أظهرت نتائج تحليل التتابعات النيوكليوتيدية ان جميع التتابعات ذات الوزن الجزيئي 540 زوجاً قاعدياً التي تمت مضاعفتها ببادني Deng تعود الى فايروس التجعد والاصفرار على الطماطه  
*Tomato Yellow Leaf Curl Virus* (TYLCV) عند مقارنتها مع التتابعات النيوكليوتيدية المكافئة لها الموجودة في بنك الجينات (جدول1).  
وقد بلغت أعلى تطابق نيوكليوتيدي للعزلات قيد الدراسة نسبة 99.5% مع منطقة الغلاف البروتيني لعزلات بنك الجينات العائدة لفايروس TYLCV من كوبا Cuba (رمزها البنكي AJ223505) والولايات المتحدة الأمريكية USA (رمزها البنكي AY530931) وجمهورية الدومنيكان Dominican (رمزها البنكي AF024715) للتتابعات TYLCV D1 الى TYLCV D8 (جدول 2).  
في حين كانت اعلى نسبة تطابق للعزلات TYLCV N1 الى TYLCV N3 التي تراوحت ما بين 95.8 و 96% مع عزلات المملكة العربية السعودية (رمزها البنكي

ب: هلام الاكاروز المصبغ بمادة بروميد الاثيديوم يظهر قطع DNA ذات الوزن الجزيئي 540 زوجاً قاعدياً الناتجة من تفاعل PCR باستعمال بادني Deng المتخصصين بمجموعة *Begomovirus* تمثل الارقام من 1 الى 4 مسار عينات المفحوصة ويمثل ق مسار DNA القياسي 100 زوج قاعدي(شركة Bioneer الكورية الجنوبية) في تشخيص الفايروسات العائدة لمجموعة *Begomovirus* فقط دون بقية المجاميع العائدة لعائلة الفايروسات التوأمية أو فايروسات أخرى عائدة لعوائل أخرى ويستهدف منطقة الغلاف البروتيني لفايروسات مجموعة الفاصوليا الذهبية (Deng et al 1994) والمعتمدة في تشخيص الانواع الفايروسية العائدة لهذه المجموعة من قبل الجمعية الدولية لتصنيف الفايروسات International committee on taxonomy of viruses (ICTV) of (Brown et al 2015).

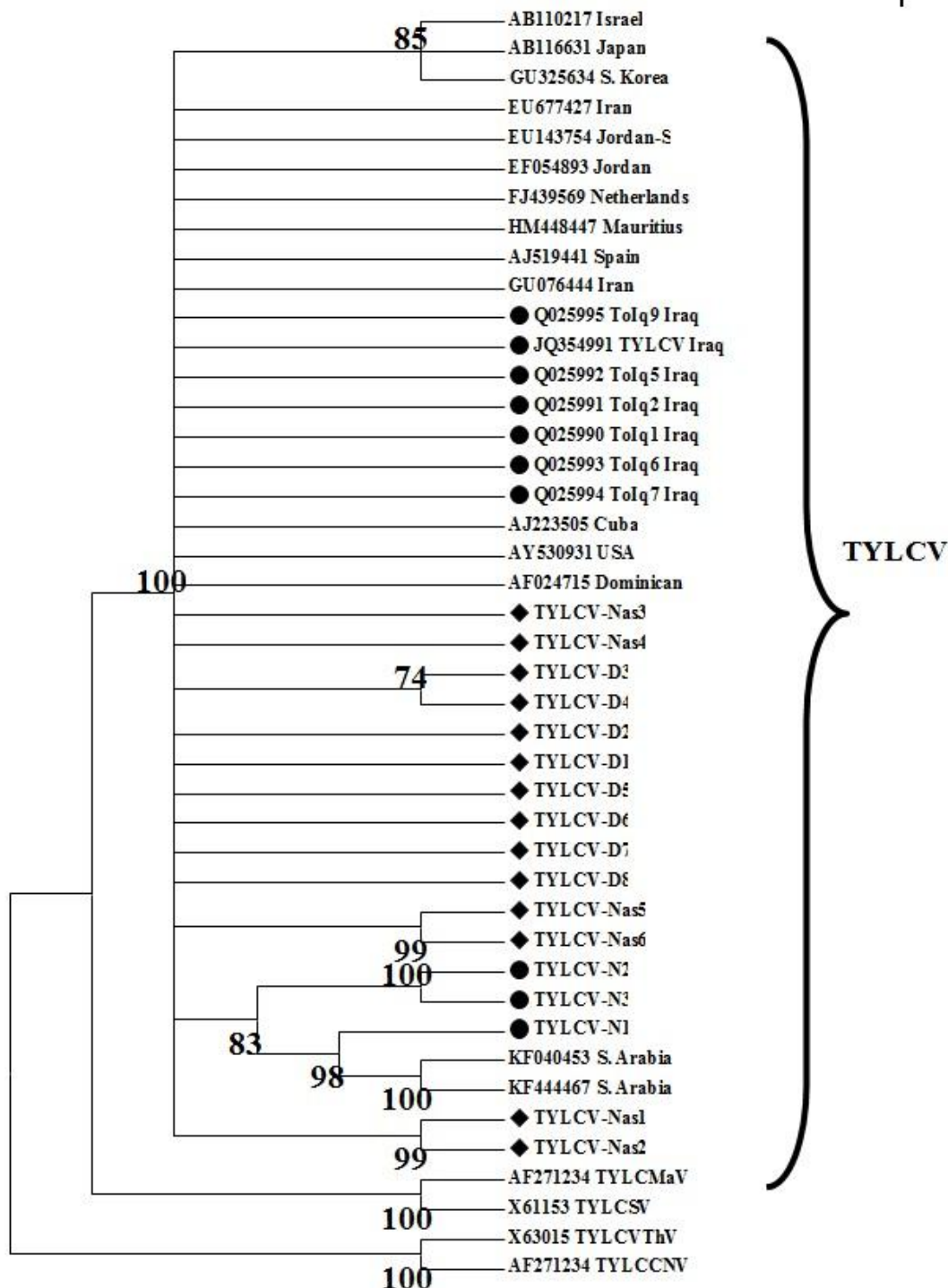
التشخيص الجزيئي وتحليل التتابعات النيوكليوتيدية  
Sequence analyses



KF040453 و KF444467) وعزلة الأرض المحتلة (Israel (رمزها البنكي AB110217) على الترتيب.

جدول 1. التتابعات الوراثية المسترجعة من بنك الجينات التي تم استعمالها في هذه الدراسة مع رموزها البنكية ومواقعها الجغرافية

	GenBank acc. code	Isolate/virus names	Location
1.	JQ025990	TYLCV-Iraq1	Iraq
2.	JQ025991	TYLCV-Iraq2	Iraq
3.	JQ025992	TYLCV-Iraq5	Iraq
4.	JQ025993	TYLCV-Iraq6	Iraq
5.	JQ025994	TYLCV-Iraq7	Iraq
6.	JQ025995	TYLCV-Iraq9	Iraq
7.	HM448447	TYLCV-Mauritius	Mauritius
8.	AJ519441	TYLCV-CB1/99	Spain
9.	GU076444	TYLCV-IL	Shiraz-Iran
10.	FJ439569	TYLCV-3181291	Netherlands
11.	AB110217	TYLCV-Ng	Israel
12.	GU325634	TYLCV-Bos	South Korea
13.	EU677427	TYLCV-Abadeh	Iran
14.	AJ223505	TYLCV-Cuban	Cuba
15.	AF024715	TYLCV-Dominican	Dominican
16.	EU143754	TYLCV-Jordan-S	Jordan
17.	EF054893	TYLCV-Jordan	Jordan
18.	AB116631	TYLCV-Japan: Misumi: Stellaria	Japan
19.	AY530931	TYLCV-USA	USA
20.	KF040453	TYLCV- Hail1	Saudi Arabia
21.	KF444467	TYLCV-GB Hail	Saudi Arabia
22.	S53251	<i>Tomato leaf curl virus-AU (ToLCV-AU)</i>	Australia
23.	D88773	<i>Tomato yellow leaf curl China virus (TYLCCNV)</i>	China
24.	AF271234	<i>Tomato yellow leaf curl Malaga virus (TYLCMaV)</i>	Spain
25.	X63015	<i>Tomato yellow leaf curl Thailand virus (TYLCVThV)</i>	Thailand
26.	X61153	<i>Tomato yellow leaf curl Sardinia virus (TYLCSV)</i>	Italy



شكل 2. العلاقة الوراثية لعزلات فايروس التجدد والاصفرار على الطماطة  
شجرة الاصول الوراثية من نوع الضامة بالتجاور Neighbor-Joining تظهر العلاقات الوراثية بين العزلات محافظة القادسية قيد  
الدراسة (الموسومة بالرمز ◆) وعزلات عراقية اخرى تم الحصول عليها من بنك الجينات (الموسومة بالرمز ●) والعزلات العالمية  
المكافئة لها المسترجعة من بنك الجينات.



تابعة للمجموعة *Begomovirus* مما يشير الى عدم وجود تنوع عالي لهذا الجنس ضمن مناطق المسح. يمكن الاستدلال من نتائج تحليل التتابعات على ان فايروس التجعد والاصفرار على الطماطه ربما يكون فايروساً وافداً الى محافظة القادسية ، ولم ينشأ فيها نتيجة لوجود تطابق نيوكليوتيدي عالي مع تتابعات بنك الجينات ولكن لتأكيد هذه النتيجة يجب اجراء دراسات أخرى تتضمن الحصول على التتابعات الكاملة للجينوم الكلي الفايروسي للعزلات المنتشرة في محافظة القادسية. واما بالنسبة لآلية اصابة العزلات الوافدة لفايروس تجعد واصفرار اوراق الطماطه وانتشارها في حقول الطماطه في محافظه القادسية ضمن مناطق المسح فما زالت غير واضحة اذ ربما تشكل شتلات الطماطه المصابة التي يتم انتاجها وبيعها في المشاتل المصادر الاولى لهذه العزلات اذ ان نباتات الطماطه في المراحل المبكرة من النمو تكون أكثر حساسية للعدوى بفايروس التجعد والاصفرار (Fauquet & Nawaz-UI-Rehman 2010).

كما ان الزراعة المكثفة والمقاربة تسهل من عملية نقل الفايروس لمسافات قصيرة بواسطة الذبابة البيضاء من النباتات المصابة الى السليمة في المشتل . كما ان هذه العزلات ربما قد تكون دخلت الى العراق من خلال بذور الطماطه او نباتات الزينة المستوردة (Caciagli 2007) التي قد تشكل مستودعاً لهذه العزلات الفايروسية لتنتقل الى نباتات الطماطه في المشاتل المرباة بواسطة الذبابة البيضاء (AI- (Kuwaiti 2013

تتفق هذه النتائج مع ضوابط تصنيف الانواع الموضوعه من قبل اللجنة الدولية لتصنيف الفايروسات الخاصة بالانواع الفايروسية العائدة للمجموعة *Begomovirus* والتي تنص على ان لا تقل نسبة التطابق للعزلات الفايروسية العائدة للنوع نفسه لمجموعة فايروسات جنس عن 89% ( Brown et al 2015).

كما اظهرت نتائج شجرة الأصول الوراثية تجمع التتابعات TYLCV D1 الى TYLCV D8 في مجموعة واحدة مع تتابعات بنك الجينات لعزلات كويا والولايات المتحدة وجمهورية الدومنيكان مما يشير الى وجود درجة قرابة عالية بين هذه التتابعات (شكل 2).

أشارت نتائج تحليل التتابعات الى وجود تباين بين العزلات قيد الدراسة، اذ تراوحت نسب التطابق ما بين 91-100% (جدول 2) مما يشير الى وجود تنوع في عزلات فايروس تجعد واصفرار أوراق الطماطه في القادسية ضمن مناطق المسح وهذه النتائج تم تأكيدها عندما وضعت شجرة الاصول الوراثية للتتابعات قيد الدراسة في مجموعتين متباعدتين هي مجموعة TYLCV D1 الى TYLCV D8 ومجموعة TYLCV Nas1 وTYLCV Nas2، مما يشير الى وجود أكثر من سلالة ضمن مناطق المسح اذ تم تمييز العزلات على انها سلالات عائدة للنوع نفسه ضمن فايروسات المجموعة *Begomovirus* اعتماداً على نسب التطابق اذا قلت عن 94% علاوة على الصفات البايولوجية والمصلية ( Brown et al 2015).

كما لم يتم الكشف عن فايروسات أخرى تسبب مرض التجعد والاصفرار عند تطابق جميع التتابعات قيد الدراسة مع تتابعات TYLCV فقط من بنك الجينات أو فايروسات أخرى





- Anonymous, 2016. Potato and tomato statistics production in Al-Qadisiyah 2015-2016. Planning and follow up Department, Al-Qadisiyah agriculture directorate.
- Brown, J. K. 2009. Plant resistance to viruses: Geminiviruses. In B. W. Mahyand M. H. VAN Regenmortel, Desk encyclopedia of plant and fungal virology. London: Elsevier Academic press, UK. pp. 52-58.
- Brown J.K., F. M. Zerbini, J. Navas-Castillo, E. Moriones, R. Ramos-Sobrinho, H. C. F. Silva, E. Fiallo-Olivé, R. W. Briddon, C. Hernández-Zepeda, A. Idris, V. G. Malathi, D. P. Martin, R. Rivera-Bustamante, S. Ueda and A. Varsani. 2015. Revision of Begomovirus taxonomy based on pairwise sequence comparisons. Archives of Virology 160(6): 1593–1619.
- Caciagli, P. 2007. Survival of whiteflies during long-distance transportation of agricultural products and plants. In H. Czosnek, Tomato yellow leaf curl virus disease, management, molecular biology, breeding for resistance. Dordrecht: Springer. The Netherlands. pp.57-63.
- Central Statistical Organization, 2016. Area, yield and production for crops and vegetables for the year 2015, Agriculture statistics, Statistical collection. <http://cosit.gov.iq/ar/component/content/article/87-aas2016/988-agri>
- Cohen, S. and I. Harpaz. 1964. Periodic, rather than continual acquisition of new tomato virus by its vector, the tobacco white fly (*Bemisia tabaci* Gen.). Entomology Exp. Appl. 7:155–159.
- Deng, D., P. F. McGrath, D. J. Robinson and B. D. Harrison. 1994. Detection and differentiation of whitefly-transmitted geminivirus in plants and vector insects by the polymerase chain reaction with degenerate primers. Annals of Applied Biology 125:327-336.
- Díaz-Pendón, J.A., M.C. Cañizares, E. Moriones, E.R. Bejarano, H. Czosnek and J. Navas-Castillo. 2010. Tomato yellow leaf curl viruses: ménage à trois between the virus complex, the plant
- إن فايروس تجعد واصفرار أوراق الطماطه على محصول الطماطه المزروعة تحت البيوت المحمية قد يشكل خطرا على زراعة الطماطه في القادسية في البيوت البلاستيكية عند توفر الناقل الملائم بسبب غياب الاجراءات الوقائية ضد الفايروس في المشاتل عند انتاج شتلات الطماطه، لذا يتطلب اعتماد الفحوصات الجزيئية للشتلات واستبعاد المصاب منها قبل زراعتها بسبب دقتها العالية في تشخيص الفايروس على مستوى السلالة او العزلة بعد نجاحها في تمييز عزلات الفايروس قيد الدراسة .
- المصادر**
- Al-Ani, A. R., A. Adhab, S. A. H. Hamad and S. N. H. Diwan. 2011. Tomatoyellowleaf curlvirus (TYLCV), identification. virus vector relationship, strains characterization and a suggestion for its control with plant extracts in Iraq. African Journal of Agricultural Research 6(22):5149-5155.
- Al-Fadhal, F. A. 2012. Biological and Serological Properties of Tomato Yellow Leaf Curl Virus (TYLCV). Magazine of Al-Kufa University for Biology 4( 2): 139-145.
- Al-Fahad Y. and T. Abbas. 2011. Atlas of Agriculture statistics road map for agricultural development (Green economy). The Central Statistical Organization, Iraq. pp. 211
- Al-Jubouri A.A., F. A. Al- Fadhal and H. M. Samaka. 2014. Detection of Tomato yellow leaf curl virus (TYLCV) and its strains on Tomato plants and host range determine by Polymerase Chain Reaction. Kufa Journal for Agricultural Science 6(4): 99-117.
- Al-Kuwaiti N. 2013. Molecular characterisation of plant viruses infecting potato and vegetables in Iraq. Ph.D. Thesis, Natural Resources Institute, University of Greenwich, pp. 292.
- Al-Kuwaiti, N., B. Otto, C. Collins, S. Seal and M.N. Maruthi. 2013. Molecular characterization and first complete genome sequence of Tomato yellow leaf curl virus (TYLCV) infecting tomato in Iraq. New Dis. Reports 27: 17.





- yellow leaf curl virus (TYLCV-IL): a seed-transmissible geminivirus in tomatoes. Sci. Rep. 6: 19013. doi:10.1038/srep19013.
- Omer, T.M . A. 2011. Iraq, Country Pasture/Forage Resource Profiles. FAO, Rome, Italy. pp. 34.
- Sambrook, J. F. and D. Russell. 2006. Condensed Protocols: From Molecular Cloning: a Laboratory Manual. New York: Cold Spring Harbor Laboratory Press, U.S. pp. 800.
- Soppe R. and R. O. Saleh. 2012. Historical agricultural production data in Iraq. Iraq Salinity Project, Technical Report 8, Report B2.1.pp. 25.
- Tamura, K., G. Stearch, D. Peterson, A. Filipksi and S. Kumar. 2013. MEGA6: Molecular evolutionary genetics analysis version 6. 0. Mol. Biol. Evol. 30(12): 2725-2729.
- and the whitefly vector. Pathogen profile update. Molecular Plant Pathology 11:441-450.
- FAO, 2017. FAO statistical yearbook. Food and Agriculture Organization of the United Nations, Rome, Italy. pp.236.
- Fauquet, G.M. and M.S. Nawaz-Ul-Rehman, 2010. Emerging geminiviruses. In B. W. Mahy and M. H. VAN Regenmortel, Desk encyclopedia of plant and fungal virology. Elsevier Academic Press, Oxford, UK. pp. 404-411.
- Glick, E., Y. Levy and Y. Gafni. 2009. The viral etiology of tomato yellow leaf curl disease – A. Review. Plant Protection Science 45: 81-97.
- Kil, E.-J., S. Kim, Y. -J. Lee, H. -S. Byun, J. Park, H. Seo, C. -S. Kim, J. -K. Shim, J. -H. Lee, J. -K. Kim, K. -Y. Lee, H. -S. Choi and S. Lee. 2016. Tomato

## التحري الجزيني عن فايروس تجعد واصفرار اوراق الطماطه (TYLCV) وتحديد عزلاته المنتشرة في بعض مزارع الطماطه المحمية في محافظة القادسية

نورس عبدالاله صادق الكويتي

حسين حديد عبد\*

كلية الزراعة/ جامعة بغداد

### الخلاصة

هدفت هذه الدراسة الى التحري الجزيني عن عزلات الفايروس المسببة لمرض التجعد والاصفرار على اوراق الطماطه والمنتشرة في بعض مزارع الطماطه المحمية في محافظة القادسية ( قضاء الحمزة الشرقي، ناحية السدير، ناحية غماس وناحية السنية). اجري تشخيص جزيني للفايروسات العائدة للمجموعة *Begomovirus* بوساطة تقانة *Polymerase chain reaction (PCR)* وباستعمال طقم بادئي *Deng* المتخصص بالجنس المذكور ومن تحديد التتابعات النيوكليوتيدية للفايروسات ومقارنتها مع نظيراتها الموجودة في بنك الجينات وتحليلها باستعمال برنامج *MEGA6*. اظهرت نتائج فحص *PCR* باستعمال طقم بادئي *Deng* تفاعلاً ايجابياً اذ تم الحصول على قطع ( *DNA* ) ذات وزن جزئي 540 زوجاً قاعدياً تقريباً من 6 من أصل 10 عينات ظهرت عليها أعراض مرض تجعد واصفرار اوراق الطماطه وهذا يشير الى اصابتها بفايروسات تعود الى مجموعة *begomoviruses*. اظهر تحليل التتابعات النيوكليوتيدية أعلى نسبة تطابق تراوحت بين 99.5-96% مع عزلات كوبا (*AJ223505*) والولايات المتحدة الأمريكية (*AY530931*) وعزلة الارض المحتلة (*AB110217*). ضمت شجرة الاصول الوراثية المشكلة من التتابع النيوكليوتيدي الجزئي للغلاف البروتيني الفايروسي جميع العزلات قيد الدراسة مع نظيراتها المسترجعة من بنك الجينات العائدة لفايروس (*TYLCV*). اظهرت نتائج التحليل الجزيني وجود تغاير في عزلات فايروس تجعد واصفرار اوراق الطماطه (*TYLCV*) ضمن مناطق المسح في المحافظة اذ تراوحت نسب التطابق بين 91-100% للتتابعات قيد الدراسة والذي يشير الى ان هذه التتابعات ربما تعود لسلاسل مختلفة. لم يتم الكشف عن فايروسات أخرى ضمن مناطق المسح عند تطابق جميع التتابعات قيد الدراسة مع باقي تتابعات بنك الجينات العائدة الى (*TYLCV*) فقط من بنك الجينات دون الفايروسات الاخرى. يمكن الاستدلال من نسب التطابق العالية أن فايروس تجعد واصفرار اوراق الطماطه ربما يكون وافداً الى محافظة القادسية، مما يتطلب إجراء دراسات أخرى تتضمن دراسات الخصائص الحيوية والحصول على التتابعات الكاملة للجينوم الكلي الفايروسي للعزلات المنتشرة لتأكيد هذا التغاير.

الكلمات المفتاحية: شجرة الاصول الوراثية، فايروسات النبات، غلاف بروتيني