

*التحديد الجزيئي لسلالات طفيلي المشوكة الحبيبية في الإنسان وبعض المضانف الوسطية باستخدام تقنية PCR

تاريخ القبول 2014/5/26

نور عايد مایع

Noorr803@yahoo.com

تاريخ الاستلام 2014/3/10

هادي مدول حمزة

Hadihamza519@yahoo.com

الخلاصة

تم جمع (18) عينة من الأكياس العدرية لإصابات الإنسان خلال مدة الدراسة التي امتدت من تشرين الثاني 2012 ولغاية شهر تموز 2013، خلال إجراء العمليات الجراحية للمرضى المصابين حيث بلغت نسبة الإصابة 5.50%. فحصت العينات السابقة باستخدام تقنية التفاعل التضاعف العشوائي المتعدد الأشكال (Random amplified polymorphic DNA (RAPD لتحديد التغيرات الوراثية بين السلالات باستخدام ستة بادئات عشوائية هي (OPE – 07 و OPF – 13 و OPF – 19 و OPC – 10 و OPF – 16 و OPA – 01). لبيان التغيرات الوراثية بين العينات من خلال وجود أو عدم وجود حزم تسلسليه للحامض النووي DNA في العينات المدروسة وقد أظهرت البادئات ما يأتي :-

– قدرة البادئ (OPE – 07) على تحديد البصمة الوراثية لعينات الحامض النووي DNA للأكياس العدرية المستأصلة من كبد الإنسان عند الوزن الجزيئي 500bp و 400bp باعتبار مؤشرا وراثيا للعينات المستأصلة من كبد الإنسان ولم تظهر في عينات المضانف الأخرى .

– قدرة البادئ (OPF – 13) على تحديد البصمة الوراثية للحامض النووي DNA في الأكياس العدرية لكبد الإنسان عند الوزن الجزيئي 500bp و 300bp حيث ظهرت في عينات الإنسان ولم تظهر في عينات المضانف الأخرى .

– قدرة البادئ (OPC – 10) على تحديد البصمة الوراثية للحامض النووي DNA للأكياس العدرية لكبد الإنسان عند الوزن الجزيئي 900bp, 700bp, 600bp, 500bp حيث لم تظهر العينات للمضانف الأخرى .

– عدم قدرة البادئ (OPF – 16 , OPA – 01 , OPF – 19) على تحديد أي بصمة وراثية مشابهة لقالب DNA في عينات الإنسان.

– قدرة البادئ (OPE – 07) على تحديد البصمة الوراثية للحامض النووي DNA في الأغنام عند الوزن الجزيئي 500bp, 300bp, 200bp وفي الأبقار عند الوزن الجزيئي 500bp ولم يتمكن من تحديد أي بصمة وراثية في الجمال وبهذا تعد هذه البصمات الوراثية هي بصمات خاصة بهذه المضانف فقط يمكن من خلالها تمييزها عن غيرها من العينات المدروسة الأخرى .

– قدرة البادئ (OPF – 13) على تحديد البصمة الوراثية للحامض النووي DNA والمستأصلة من كبد الأغنام عند الوزن الجزيئي 500bp, 300bp, 200bp, 400bp, وفي الأبقار 700bp, 600bp, 200bp ولم يتمكن من تحديد أي بصمة وراثية في عينات DNA للأكياس العدرية المستأصلة من الجمال.

– قدرة البادئ (OPF – 19) على تحديد البصمة الوراثية للحامض النووي DNA للأكياس العدرية المستأصلة من كبد الأغنام عند 500bp وللأبقار عند الوزن الجزيئي 500bp و 300bp والجمال عند 1300bp.

كلمات مفتاحية: التغيرات الوراثية، الأكياس العدرية، البصمة الوراثية، تفاعل التضاعف العشوائي متعدد الأشكال
– قدرة البادئ (OPC – 10) على تحديد البصمة الوراثية في الجمال عند 1300bp ولم يتمكن من تحديد أي بصمة وراثية في الأبقار والأغنام .

– قدرة البادئ (OPF – 16) على تحديد البصمة الوراثية للحامض النووي للأكياس العدرية في الأغنام عند الوزن الجزيئي 500bp, 400bp, 300bp والأبقار عند 300bp والجمال عند 500bp و 600bp.

أخيرا أظهرت الدراسة أن السلالات التي تصيب الإنسان قد تأتي من الأغنام والأبقار حصرا لوجود بصمات وراثية مشتركة بينهم يمكن الكشف عنها باستخدام البادئين OPE – 07 عند الوزن الجزيئي 500bp و OPF – 13 عند الوزن الجزيئي 300bp فقط ولكن هذا يحتاج إلى دراسة أوسع باستخدام التتابع الجيني Gen sequences ولجميع الحيوانات الأليفة الأخرى القريبة من الإنسان.

*البحث مستل من رسالة ماجستير للباحث الثاني

Microbiology Classification Q₁R₁ 74.5

المقدمة

مرض الأكياس العذرية من الأمراض الانتقالية الواسعة الانتشار في العالم، إذ يعد من الأمراض فوق المتوطنة التي تحدث الإصابة عن طريق الطور البرقي لطيفلي المشوكة الحبيبية *Echinococcus granulosus* (1) ويعد من الأمراض ذات الأهمية الطبية الواسعة الانتشار في القطر وخصوصاً في المناطق الريفية والتي يكون الاتصال مقرب بين المضيف النهائي (definitive host) المضانف الوسطية من مختلف الحيوانات (2)، وأن لهذا المرض أهمية صحية واقتصادية كبيرة كونه يصيب أعضاء مهمة من الإنسان والحيوان مثل الكبد، الطحال والكلى وكذلك الأعضاء التي من الصعوبة علاجها وهي العمود الفقري والدماغ والأوعية الدموية (3). أن تقنية التضاعف العشوائي المتعدد الأشكال RAPD هي إحدى التقنيات المعتمدة على استخدام تفاعل البلمرة التسلسلي PCR التي استخدم بصورة واسعة بوصفه مؤشراً جزيئياً منذ عام 1990 وقد طورت اختبار التضاعف العشوائي (RAPD) مجموعة (A) في (u - Wilimngton) (Dpoont co) أطلقت على الطريقة الجديدة تسمية اختبار (RAPD) التفاعل العشوائي المتعدد الأشكال لسلسلة ألدنا (4) ووصفت أنها تطبيقات الخريطة الجينية (Gene map) أما المجموعة الأخرى (B) في معهد كاليفورنيا للأبحاث الحيوية في الولايات المتحدة الأمريكية (5) وكذلك البصمة المجين (DNA finger printing) وجمع اختبارهم أنشاء بادئ عشوائي للتفاعل التضاعفي لسلسلة ألدنا (AP ACR) (Ar bitrary primer) كلا هذين الاختبارين اعتمدا على ملاحظة تلك القطع الصغيرة المفردة من النيوكليوتيدة منقوص الاوكسجين للتابع المختار بصورة عشوائية عندما مزجت من ألدنا المجين والقواعد النيوكليوتيدة الأربعة (dntps) والداري وإنزيم البلمرة ألدنا وإخضاعها لحرارة المبلر الحلقي ومضاعفة بعض قطع ألدنا (6) وأن تقنية التضاعف العشوائي المتعدد الأشكال (RAPD) أصبح لها أهمية كبيرة في الوقت الحاضر وذلك بسبب كفاءتها وسرعتها في الكشف عن التباينات بين الأفراد والضروب فضلاً عن استخدامها بادئات عشوائية قصيرة وهي عامة لكل الكائنات لذا أصبح ممكن تطبيقها على مدى واسع من الكائنات الحية مثل الإنسان (7) والحيوان (8) والنبات (9) والطفيليات (10) ويعود الاستخدام الواسع لهذه التقنية في هذا المجال لأنها أكفاً من المؤشرات الإنزيمية وتقنية التقييد الشكلي للأطوال الجزيئية (RFLP) Restriction (fragment length polymorphism) في الكشف عن التباينات الوراثية وبالتالي بناء الخرائط الوراثية والتشخيص إذ استخدم تفاعل التضاعف العشوائي المتعدد الأشكال (RAPD) في تشخيص نمط معين من طفيلي *Lishmania donovani* (11) وأيضاً تحديد البصمة الوراثية لطيفلي *Neospora oaninum* (12) وكذلك لطيفلي *Echinococcus sp.* (13) (14) (15) وقد أمكن بواسطة تقانة الـ (RAPD) التمييز بين اصناف طفيلي *Echinococcus* والمعوذلة من المضانف الوسطية المختلفة التي تصيب الإنسان والحيوانات الداجنة وكذلك

دراسة العلاقات لوراثية بينها فوجد انها ذات تباينات وراثية (16) وفي دراسة حديثة امكن بواسطة استخدام بادئ (OPA-800) تشخيص طفيلي الشمانيا (Old world lishmania) (*lishmania donovani*) (11) من أصل أربع بادئات عشوائي استخدمت في تحليل ألدنا المعزول من طفيلي في تفاعل الـ (Rpad) وفي (OPA1) (OPA1-) (OPA1-800) (OPA1-400) (OPA1-1200) التي تعود إلى وجود تكرار قصير للـ دنا للأنواع المختلفة معتمداً على منتصف الطرف 3 للبادئ (OPA1).

المواد وطرق العمل:

تم جمع نماذج الأكياس العذرية للإنسان والبالغة 18 عينة من المستشفيات في مدينة الديوانية اصالة العمليات للفترة الدراسية بين تشرين الثاني لعام 2012 ولغاية شهر تموز 2013 بينما جمعت الأكياس العذرية من الحيوانات من أصل أغنام و أبقار وجمال من مجزرة الديوانية في محافظة الديوانية لنفس المدة والبالغ عددها 24 عينة حيث جمعت الأكياس العذرية بحاويات مبردة من الفلين ثم نقلت إلى المختبر في قسم علوم الحياة وأجريت عليها معاملات التهينة والتحضير لفصل الرؤيسات الأولية والطبقة المولدة حيث استخدمت طريقة (17) اذقم السطح الخارجي بالكحول بتركيز (70%) ولقد استخدمت محاقن طبية نبيذه بحجم (10) ملم وسحب السائل العذري بعد تعقيم الإبرة بالحرارة وذلك لكي لا تتلوث منطق السحب، ثم ازيلت الطبقة المولدة ووضعت بقناني زجاجية وحفظت بـ (70% Ethanol) ودرجة حرارة منخفضة اربعة موية.

أستخلصت المادة الوراثية DNA من عينات المرضى المصابين وذلك بأستعمال AccuPrep® Genomic DNA Extraction Kit حسب تعليمات الشركة المصنعة و تم تحضير هذه التفاعلات بالاستناد على (5) ولقد استخدمت ستة بادئات عشوائية تم تصميمها وتجهيزها من قبل شركه بايونير الكوريه تم اجراء فحص الـ RAPD لعينات الحامض النووي DNA حيث تم استخدام عدة Accupower® premix PCR kit

و بحسب تعليمات الشركة حيث تم وضع المزيج في أنابيب الـ PCR والمجهزة في العدة والحاوية على مكونات تفاعل سلسلة البلمرة وأضيفت المكونات الأخرى لمزيج التفاعل (Primers, 3 µL / DNA, 10 µL / PCR water, 7 µL) ثم تغلق الأنابيب وتمزج بواسطة جهاز المازج وتنقل الأنابيب لجهاز المبلر الحراري الحلقي PCR Thermocycler لبدأ التفاعل التضاعفي وفق البرنامج الآتي :- دورة واحدة لمدة 2 دقيقة على درجة حرارة 94 للمسخ الأولي، 40 دورة تضاعف لمدة 2 دقيقة على درجة حرارة 92 م لمسخ القلب ودقيقة واحدة على درجة حرارة 37 م لربط البادئات بالدنا القلب 2 دقيقة على درجة حرارة 72 م لاستطالة البادئات المرتبطة بدورة أخيره واحدة للاستطالة لمدة 10 دقائق وبدرجة حرارة 72 م بوصفها دورة أخيره للاستطالة النهائية. بعد ذلك أجري الترحيل الكهربائي لنواتج التضخيم على هلام الاكاروز بنسبة 1.5 % وبعد اكتمال عملية الترحيل الهلام الحلو على ناتج باستخدام جهاز الأشعة فوق البنفسجية UV.

أظهر هذا البادئ خمس حزم تضاعفية في العينات المأخوذة من الأكياس العدرية من كبد الإنسان وتراوحت أوزانها الجزيئية ما بين (250-650) زوج قاعدي الشكل (1) والحزمة الأولى كانت بالوزن الجزيئي 250 زوج قاعدي والثانية 300 زوج قاعدي والثالثة 500 زوج قاعدي والرابعة 650 زوج قاعدي والخامسة 750 زوج قاعدي ومن خلال هذه الحزمة أيضا يمكن تشخيص العينة من بين العينات الأخرى لأنها تعد مؤشرا وراثيا (OPF - 13 - 400bp) لهذه العينة وان هذا البادئ له القدرة أيضا على تحديد البصمة الوراثية للأكياس العدرية بطريقة حزمة المؤشر لتشابه موقعها مع موقع DNA القالب (18) (10)، وتتفق الدراسة مع دراسة (19) في العراق حيث أن الحزم ذات الوزن الجزيئي (300-540-750) زوج قاعدي قد ظهرت في العينات المأخوذة من الإنسان من المناطق الوسطى والجنوبية فقط ولم تظهر في العينات المأخوذة من المناطق الشمالية.

- البادئ (OPA - 01)

لم يظهر هذا البادئ أي حزم تضاعفية في الأوزان الجزيئية المختلفة مع عينات الحامض النووي DNA المأخوذة من الأكياس العدرية المأخوذة من كبد الإنسان وكما مبين في الشكل (1) ومن هذا يظهر عدم وجود علاقة بين الحزم الناتجة من تفاعلات التفاعل التضاعفي العشوائي (RAPD) ونسبة الكوانين- سايتوسين في البادئات وهذه النتيجة تتفق مع (20) والذي بين أنه لا توجد علاقة بين البادئ (عدد الحزم الناتجة من استخدام) ونسبة الكوانين- سايتوسين في حين لا تتفق مع (21) والذي ذكر بأن كفاءة البادئ المستخدم في تفاعلات التفاعل التضاعف العشوائي (RAPD) تزداد بزيادة نسبة كوانين- سايتوسين عند الأخذ بنظر الاعتبار أن عدد الأواصر التي ترتبط الكوانين إلى السايتوسين هي ثلاثة في حين أن اصرتين فقط ترتبطان Alanine مع Thymine وبذلك فإن الارتباط يكون أقوى بين البادئ وموقعه المكمل على قالب الدنا ولا يرتبط عدد الحزم الناتجة بعدد مواقع الارتباط فيزداد عدد القطع المتضاعفة تبعاً لذلك. وان عدم ملاحظة وجود علاقة بين نسبة الكوانين- السايتوسين وكفاءة البادئ المستخدم في هذه الدراسة يعود ربما إلى أن الارتباط الأقوى للبادئ لا يؤدي بالضرورة إلى زيادة عدد مواقع الارتباط التي تكون ثابتة في النوع الواحد.

- البادئ (OPF - 19)

أظهر هذا البادئ ثلاث حزم تضاعفية مع عينات الحامض النووي DNA المأخوذة من الأكياس العدرية لكبد الإنسان تراوحت أوزانها الجزيئية ما بين 350-550 زوج قاعدي الشكل (1) وهذا يشير لعدم كفاءة هذا البادئ المستخدم وعدم وجود علاقة بين نسبة كوانين- سايتوسين أو ربما يعود إلى نوع الارتباطات التي تكون ثابتة في النوع الواحد ومن هذا يظهر عدم وجود علاقة بين الحزم الناتجة من تفاعلات التفاعل التضاعف العشوائي المتعدد الأشكال (RAPD) ونسبة الكوانين- السايتوسين في البادئات وهذه النتيجة تتفق مع (20) والذي بين أنه لا توجد علاقة بين البادئ ونسبة كوانين- سايتوسين في حين لا تتفق مع (21) والذي ذكر بأن كفاءة البادئ المستخدم في تفاعلات التفاعل التضاعفي

النتائج والمناقشة

نتائج فحص تقنية التفاعل التضاعفي العشوائي المتعدد الأشكال لسلسلة الحامض النووي Random amplified polymorphic DNA (RAPD).

الإنسان Human

تم فحص العينات الموجبه المأخوذة من الإنسان لثمانى عينات باستخدام تقنية التفاعل التضاعفي العشوائي المتعدد الأشكال (RAPD) للحامض النووي الدنا المستخلص من الطبقة الجرثومية لكبد الكيس العدرى من المرضى المشمولين بالدراسة وباستخدام ستة بادئات تم تجهيزها من قبل شركة Geneaid الكورية وهي (OPE - 07 و OPF - 13 و OPC - 10 و OPA - 01). وتحت الشروط القياسية للتفاعل وتم تكرار التفاعل أكثر من مرة للوصول إلى الظروف القياسية المثلى لتفاعل التضاعف العشوائي المتعدد الأشكال (RAPD) واعتمادا على الدراسات السابقة حول الموضوع وذلك من اجل دراسة التباينات الوراثية بين العينات المفحوصة وإمكانية إيجاد البصمة الوراثية المميزة لكل نوع , أظهرت نتائج استخدام البادئات المذكورة أنفاً في تفاعل التضاعف العشوائي المتعدد الأشكال (RAPD) وجود اختلافات في البادئات في إنتاج الحزم المتضاعفة للتفاعل واختلاف في الأوزان الجزيئية وهو بدوره ناتج عن الاختلاف في المواقع المكمل للبادئ أذ لوحظ ان تلك البادئات توزعت إلى مجموعتين النوع الاول هو البادئات التي لم تظهر أي نتائج على هلام الاكاروز وهي البادئ (OPA - 01) فقط والمجموعة الثانية شملت البادئات التي أعطت نتائج تضاعف على هلام الاكاروز وهي (OPE - 07, OPC - 10, OPF - 19, OPF - 13, OPF - 16) وكما مبين في الشكل (1) ويعود السبب في عدم إعطاء المجموعة الأولى من البادئات في نتائج تضاعف في هذه التقنية إلى عدم وجود المواقع المكمل لتسلسل البادئ المستخدم ضمن (DNA) وبذلك لا يحصل أي ارتباط بين البادئ المستخدم وشريط قالب DNA Tamblet (15).

- البادئ (OPE - 07)

أظهر هذا البادئ أربع حزم تضاعفية بالوزن الجزيئي (300,400,500,600,700) زوج قاعدي في حين لم يظهر أي حزم تضاعفية في الأوزان الجزيئية (200-100) زوج قاعدي وكذلك في الأوزان الجزيئية (1300-800) زوج قاعدي وكما في الشكل (1) ومن خلال الحزمة ذات الوزن الجزيئي 300-700 يمكن تشخيص العينة عن العينات الأخرى باستخدام هذا البادئ لأنها تعد مؤشرا وراثيا (OPE - 07 300-700bp) حيث تمكن هذا البادئ من تحديد البصمة الوراثية (finger pritting) بطريقة المقارنة مع حزمة المؤشر (marker band) لهذه العينة لتشابه موقعها مع عينة DNA القالب (18).

- البادئ (OPF - 13)

أظهر هذا البادئ حزمتين تضاعفتين من عينات الحامض النووي DNA المأخوذة من الأكياس العدرية لكبد الإنسان تراوحت أوزانها الجزيئية ما بين 750-1100 زوج قاعدي كما في الشكل (1) ومن هنا نستنتج عدم وجود علاقة بين الحزم الناتجة من تفاعل التضاعف العشوائي المتعدد الاشكال الـ (RAPD) ونسبة الكوانين-السائتوسين في البادئ المستخدم (10) ومن خلال ما تقدم يمكن اعتبار الحزمة ذات الوزن الجزيئي 500 زوج قاعدي التي ظهرت في العينات باستخدام البادئات (OPE - 07(400 bp) (OPF - 13 (500 bp) مؤشرا وراثيا لعينات الحامض النووي DNA المأخوذة من الأكياس العدرية للإنسان كمضيف وسطي لتمييزها عن باقي العينات الأخرى باستخدام نفس البادئات حيث تمكنت هذه البادئات من تحديد البصمة الوراثية بطريقه المقارنه مع حزمه المؤشر لهذه العينه لتشابهها مع عينه قالب الدنا كما في الشكل (1) يوضح فيه نوع البادئ وعدد الحزم والأوزان الجزيئية للأكياس العدرية المستأصلة من كبد الإنسان

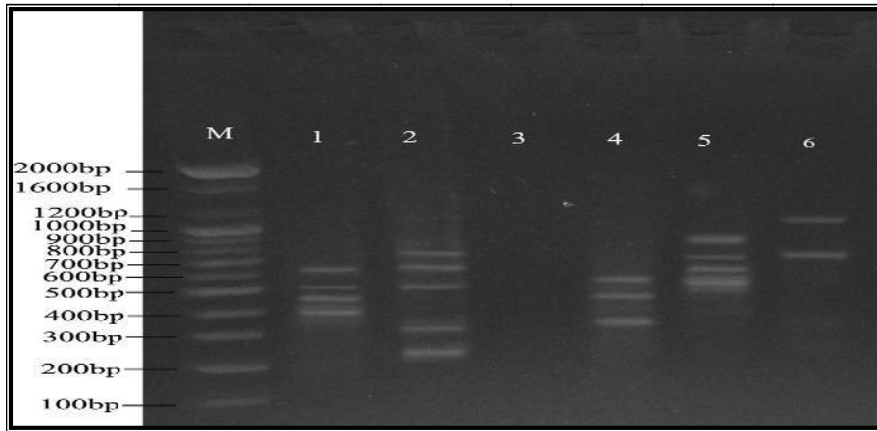
العشوائي المنفرد المتعدد الاشكال (RAPD) تزداد بزيادة نسبة كوانين - سائتوسين عند الأخذ بنظر الاعتبار أن عدد الأواصر التي تربط الكوانين الى السائتوسين هي ثلاثة في حين أن اصرتين فقط تربطان Alanine و Thymine وبذلك فإن الارتباط يكون أقوى بين البادئ وموقعه المكمل على قالب الدنا ولا ارتباط عدد الحزم الناتجة بعدد المواقع الارتباط فيزداد عدد القطع المتضاعفة تبعاً لذلك. (21).

- البادئ (10 - OPC)

أظهر هذا البادئ أربع حزم تضاعفية في الأوزان الجزيئية 500-900 زوج قاعدي في حين لم يظهر أي حزم تضاعفية مع الأوزان الجزيئية 100-450 زوج قاعدي وكذلك الأوزان الجزيئية 950-1300 زوج قاعدي كما في الشكل (1) نستنتج من هذا ان هذا البادئ استطاع من تحديد البصمة الوراثية بطريقة حزمة المؤشر عند الوزن الجزيئي 500 و 600 و 700 وزن قاعدي تشابه موقع الحزمة مع موقع حزمة الحامض النووي (DNA) القالب (19).

- البادئ (16 - OPF)

الشكل (1) يمثل نواتج التضاعف على هلام الاكاروز بتركيز 1.2 المأخوذة من الاكياس العدرية المستأصلة من كبد الانسان باستخدام البادئات.



- العينات من 1-6 تمثل الحزم الموجه باستخدام البادئات الست .
- العينة 3 تمثل العينه السالبة باستخدام البادئ OPA - 01
- (1) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPE - 07
- (2) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPF - 13
- (3) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPA - 01
- (4) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPF - 19
- (5) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPC - 10
- (6) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPF - 16

m-
الأغنام
المؤشر
Sheep

- البادئ (07 – OPE)

أظهر هذا البادئ أربع حزم تضاعفية من عينات الحامض النووي (DNA) المأخوذ من الأكياس العذرية لكبد الأغنام وتراوحت أوزانها الجزيئية ما بين 200-550 زوج قاعدي في حين لم يظهر أي حزم تضاعفية في الأوزان الجزيئية 100-600-1300 وزوج قاعدي كما في الشكل (2) وتمكن هذا البادئ من تحديد البصمة الوراثية للعينات عند الوزن الجزيئي 200bp و 300bp باعتبارها مؤشرا وراثيا (OPE 07 200bp,300b -بطريقه حزمه المؤشر لتشابه موقعها مع موقع الدنا القالب (10)).

- البادئ (13 – OPF)

أظهر هذا البادئ أربع حزم تضاعفية في الأوزان الجزيئية 200,300,400,750 زوج قاعدي ولم يظهر أي حزم تضاعفية في الأوزان الجزيئية الأخرى الشكل (2) وهذا يدل على وجود علاقة بين نسبة الكوانين - السايروسين والبادئ المستخدم في الدراسة تمكن من تحديد البصمة الوراثية للعينات عند الوزن الجزيئي 200,300,400 زوج قاعدي لتشابه موقعها مع موقع قالب الدنا (18).

- البادئ (01 – OPA)

أظهر البادئ خمس حزم تضاعفية مع الأوزان الجزيئية 250-850 زوج قاعدي وأوزانها الجزيئية هي 250-850 250-350-600 زوج قاعدي ولم يظهر أي تضاعف في أوزان الجزيئية 100-250 وكذلك 900-1300 زوج قاعدي ولم يظهر أي حزم عند الوزن الجزيئي 100-200 زوج قاعدي كما في الشكل (2) وهذا يدل على عدم وجود علاقة بين نسبة الكوانين - السايروسين والبادئ المستخدم في الدراسة حيث أن الارتباط القوي لا يؤدي بالضرورة إلى زيادة عدد

مواقع الارتباط (21) وتمكن البادئ من تحديد البصمة الوراثية عند الوزن الجزيئي 600bp 700bp لتشابه موقعها مع الدنا القالب (18).

- البادئ (19 – OPF)

أظهر هذا البادئ حزمة تضاعفية واحدة فقط من الوزن الجزيئي 500 زوج قاعدي ولم يظهر أي حزم تضاعفية عند الأوزان الجزيئية الأخرى الشكل (2) إن هذه الحزم التي ظهرت في العينات المأخوذة من كبد الأغنام فقط تعطي مؤشرا وراثيا يمكن من خلاله تميز هذه العينات عن العينات الأخرى باستخدام (البادئ)

(500bp 19 – OPF .

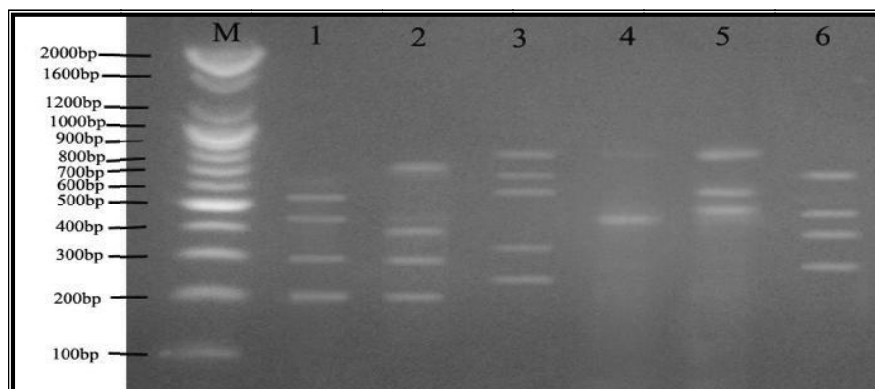
- البادئ (10 – OPC)

أظهر البادئ ثلاث حزم تضاعفية في الأوزان الجزيئية 550 زوج قاعدي و 650 زوج قاعدي و 950 زوج قاعدي في حين لم يظهر أي حزم تضاعفية في الأوزان الجزيئية الأخرى وهذا يدل على عدم وجود علاقة بين نسبة الكوانين - السايروسين والبادئ المستخدم في الدراسة أذ أن الارتباط القوي لا يؤدي بالضرورة إلى زيادة عدد مواقع الارتباط (21).

- البادئ (16 – OPF)

أظهر هذا البادئ أربع حزم تضاعفية في الأوزان الجزيئية 300 زوج قاعدي و 400 زوج قاعدي و 50 زوج قاعدي و 750 زوج قاعدي ولم تظهر أي حزم تضاعفية في الأوزان الجزيئية 100-200-1300 زوج قاعدي وقد تمكن هذا البادئ من تحديد البصمة الوراثية للعينات عند الوزن الجزيئي 300bp, 400bp, 500bp لتشابه موقعها مع دنا القالب وبهذا يمكن تشخيص العينات باستخدام هذا البادئ عند (500bp 400bp 16300bp 19 – OPF) بطريقه المقارنة مع حزمة المؤشر (18).

الشكل (2) يمثل نواتج التضاعف على هلام الاكاروز بتركيز 1.2% المأخوذة من الاكياس العدرية المستأصلة من كبد الاغنام .



العينات من 1-6 تمثل الحزم الموجبه باستخدام البادئات الستة .

(1) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPE – 07 .

(2) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPF – 13 .

(3) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPA – 01 .

(4) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPF – 19 .

(5) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPC – 10 .

(6) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPF – 16 .

حزمتين تضاعفيتين عن الوزن الجزيئي 500-600 زوج

قاعدتي فقط ولم تظهر أي حزم تضاعفية عن بقية الأوزان

الجزيئية الشكل (3) ومن هذا نستنتج ان البادئ OPF – 16

استطاع أن يحدد البصمة الوراثية بوجود الحزم -600

500 والمعزولة من الحامض النووي DNA لعينات الأكياس

العدرية المستأصلة من كبد الجمال وتمكن البادئ . OPF –

10, OPC – 19 من تحديد البصمة الوراثية بوجود الحزمة

1300tp لكلا البادئين لتشابه موقعها مع ألدنا القالب (18) .

m- المؤشر

جمال Gamal

لم تظهر البادئات OPE – 07 و OPA – 01 و OPF

13 أي حزم تضاعفية مع عينات الحامض

النووي (DNA) للأكياس العدرية المأخوذة من الجمال في

حين اظهر البادئان OPF – 19 و OPC – 10 حزمة

تضاعفية واحدة لكل منهما عن الوزن الجزيئي أعلى من

1300 زوج قاعدي إما البادئ OPF – 16 فقد اظهر

الشكل (3) يمثل نواتج التضاعف للحامض النووي ألدنا على هلام الاكاروز (بتركيز 2-1) المأخوذة من الأكياس العدرية المستأصلة من كبد الجمال .



العينات من 1-6 تمثل الحزم الموجبه باستخدام البادئات الست .
- العينات 1-3 تمثل العينات السالبة .

- 1) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPE – 07 .
- 2) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPF – 13 .
- 3) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPA – 01 .
- 4) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPF – 19 .
- 5) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPC – 10 .
- 6) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPF – 16 .

تشخيص العينة المأخوذة من الأبقار عن باقي العينات
بأستخدام هذا البادئ (OPF – 13 200,600,700
(pb) باعتبارها مؤشراً وراثياً حيث تمكن من تحديد البصمة
الوراثية للعينة بالمقارنة مع DNA القالب (18).

– البادئ (OPA – 01) أظهر هذا البادئ حزمتين
تضاعفيتين فقط هما 350,220 زوج قاعدي وهذا يظهر
عدم وجود علاقة بين الحزم الناتجة من تفاعلات التفاعل
التضاعفي العشوائي RAPD ونسبه الكوانين – الساييتوسين
بأستخدام هذا البادئ وهذه النتيجة تتفق مع (20) والذي بين
أن لا توجد علاقة بين البادئ (عدد الحزم الناتجة من استخدامه
(وينسبة الـ (كوانين- ساييتوسين) في حين لا تتفق مع
(18) والذي ذكر بأن كفاءة البادئ المستخدم في تفاعلات
التفاعل التضاعف العشوائي (RAPD) تزداد بزيادة نسبة
كوانين- ساييتوسين عند الأخذ بنظر الاعتبار أن عدد
الأواصر التي ترتبط الكوانين إلى الساييتوسين هي ثلاثة في
حين أن اصرتين فقط تربطان اللانين مع الثايمين وبذلك فإن
الارتباط يكون أقوى بين البادئ وموقعة المكمل على قالب
ألدنا ولا ارتباط عدد الحزم الناتجة بعدد مواقع الارتباط فيزداد

m- المؤشر

الأبقار Caws

– البادئ (OPE – 07)

أظهر هذا البادئ أربع حزم تضاعفية لعينات الحامض
النووي ألدنا المأخوذ من كبد الأبقار المصابة بالأكياس
العدريه تراوحت أوزانها الجزيئية بين 250-500 زوج
قاعدي وهي 250 زوج قاعديا و 350 زوج قاعدي و 420
زوج قاعدي و 500 زوج قاعدي الشكل (4) ومن خلال
ألحزمه 500 زوج قاعدي يمكن تشخيص العينة المأخوذ من
الأبقار عن العينات الأخرى باستخدام هذا البادئ لأنها تعد
مؤشرا وراثيا (OPE – 07 500bp) حيث تمكن هذا البادئ
من تحديد البصمة الوراثية بطريقه المقارنة مع حزمه
المؤشر لهذه العينة لتشابهها مع عينة قالب DNA (18).

– البادئ (OPF – 13)

أظهر هذا البادئ ستة حزم تضاعفية تراوحت ما بين
200 زوج قاعدي -700 زوج قاعدي وهي
200,600,450,350,270,200 زوج قاعدي الشكل
(4) ومن خلال ألحزمة 700,600,200 زوج قاعدي يمكن

لم يظهر هذا البادئ أي حزم وراثيه مع العينات المفحوصة مما يدل على عدم وجود علاقة الكوانين - السايكوسين والبادئ المستخدم في الدراسة أذ أن الارتباط القوي لا يؤدي بالضرورة إلى زيادة عدد مواقع الارتباط (21)

- البادئ (OPF - 16)

أظهر هذا البادئ حزمتين تضاعفيتين من 250 زوج قاعدي و300 زوج قاعدي ومن هنا يظهر وجود علاقة بين الحزم الناتجة من تفاعلات الـ RAPD ونسبة الكوانين - السايكوسين في هذا البادئ عند الوزن الجزيئي 300bp و (OPF- 16) 300bp لتشابه موقعها مع الدنا القالب (18).

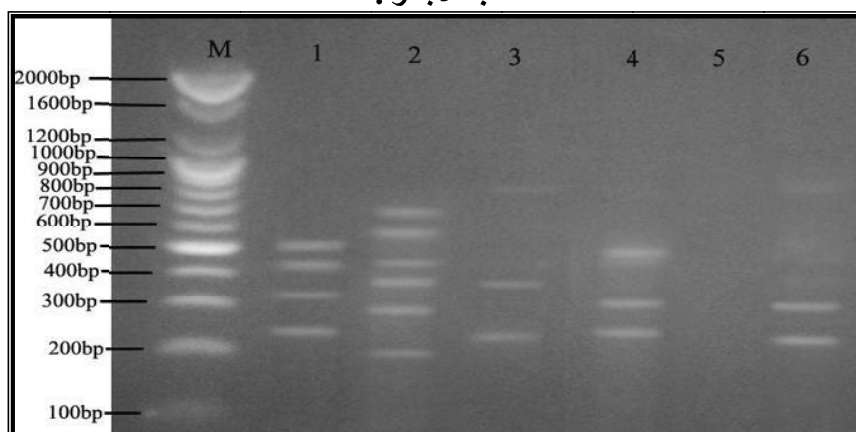
عدد القطع المتضاعفة تبعاً لذلك. وان عدم ملاحظة وجود علاقة بين نسبة الكوانين- السايكوسين وكفاءة البادئ المستخدم في هذه الدراسة يعود ربما إلى أن الارتباط الأقوى للبادئ لا يؤدي بالضرورة إلى زيادة عدد مواقع الارتباط التي تكون ثابتة في النوع الواحد.

- البادئ (OPF - 19)

أظهر هذا البادئ ثلاث حزم تضاعفيه هي 250 و300 و500 زوج قاعدي من خلال الحزمة و300 زوج قاعدي و500 زوج قاعدي يمكن تشخيص العينة عن العينات الأخرى باستخدام هذا البادئ لأنها تعد مؤشراً وراثياً (OPF-19 300,500Pb) حيث تمكن هذا البادئ من تحديد البصمة الوراثية. وهذا يتفق مع (19).

- البادئ (OPC - 10)

الشكل (4) يمثل نواتج التضاعف على هلام الاكاروز بتركيز 1.2% المأخوذة من الأكياس العدرية المستأصلة من كبد الأبقار .



العينات من 1-6 تمثل الحزم الموجبه باستخدام البادئات الست .
- العينة 5 تمثل العينة السالبة للفحص

- (1) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPE - 07
- (2) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPF - 13
- (3) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPA - 01
- (4) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPF - 19
- (5) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPC - 10
- (6) تمثل العينات المفحوصة باستخدام البادئ OPF - 16

المؤشر

العلاقة بين العينات المأخوذة من الإنسان والمضائف الأخرى باستخدام تقنية التفاعل التضاعفي المتعدد الأشكال

RAPD

أظهرت تقنية التفاعل التضاعفي العشوائي المتعدد الأشكال باستخدام البادئات الست OPE – 07, OPF – 07, OPC – 10, OPF – 16, OPA – 01, وجود بصمة وراثية مشتركة بين عينات الحامض النووي DNA المأخوذة من الإنسان والعيّنات المأخوذة من الأبقار باستخدام البادئ (OPE – 07) عند الحزمة ذات الوزن الجزيئي 500 زوج قاعدي فقط في كلا العينتين حيث تمكن هذا البادئ من تحديد البصمة الوراثية في الإنسان عند الوزن الجزيئي 500 أما البادئان (OPF – 19) و (OPC – 10) فقد تمكننا من تحديد البصمة الوراثية في عينات الحامض النووي DNA للإنسان عند الوزن الجزيئي 500 زوج قاعدي والأغنام عند الوزن الجزيئي 200 و600 زوج قاعدي والأبقار عند 500 زوج قاعدي بينما لم تظهر أي علاقة مع العينات المأخوذة من الجمال. أما البادئ (OPF – 13) والبادئ Op-10 فقد تمكن من تحديد البصمة الوراثية عند الوزن الجزيئي 500 زوج قاعدي في عينات DNA الإنسان والأغنام عند الوزن الجزيئي 300 زوج قاعدي باستخدام البادئ OPF-13 ولم يتمكن البادئ OPC-10 من تحديد أي بصمة وراثية في الإنسان والأبقار عند الوزن الجزيئي 700,600,200 زوج قاعدي أما البادئ OPF-19 فقد تمكن من تحديد البصمة الوراثية عند الوزن الجزيئي 500 زوج

قاعدي في الأغنام ولم يتمكن من ذلك في عينات الإنسان وفي عينات الأبقار عند الوزن الجزيئي 300 و500 زوج قاعدي والبادئ OPF-16 فلم يتمكن من تحديد أي بصمة وراثية في الإنسان , أما بقيه البادئات فلم تتمكن من تحديد أي بصمة وراثية مشتركة بين المضائف المختلفة. ومن خلال تلك النتائج نلاحظ وجود بصمة وراثية مشتركة بين سلالة الأكياس العدرية للإنسان وسلالة الأبقار هي 500 زوج قاعدي و 450 زوج قاعدي بين سلالة الأكياس العدرية للإنسان والأغنام يمكن الكشف عنها باستخدام البادئ (OPE-07) وهذا لم يحصل باستخدام بقية البادئات وهذا قد يدل على أن السلالة التي تصيب الإنسان قد تأتي من الأبقار وإيضاً وجود بصمة وراثية مشتركة بين سلالة الأغنام هس 300 زوج قاعدي يمكن الكشف عنها باستخدام البادئ (OPF-13) فقط. بينما لم يظهر أي تشابه وراثي بين عينات الإنسان والجمال باستخدام البادئات المختلفة وهذا يتفق مع ماذكره (22) , بأن معظم السلالات Strains التي تعود الى جنس *E.granulosus* قد تكون مخمجة للإنسان باستثناء عثر الخيول والجمال التي قد تكون ذات قابلية محدودة لإصابة الإنسان ويتفق أيضاً مع ما ذكره (23) والذي أشار الى وجود تشابه بين الشكل الذي يحدث الإصابة في الإنسان والشكل الذي يحدث الإصابة في الأغنام , والذي أدى الى اعتماد سلالة الأغنام فقط في إصابة الإنسان وكونه المسؤول عن أغلب إصابات الإنسان بالأكياس العدرية (24) (23) ولكن لا يمكن الجزم بذلك لأنه يحتاج الى تحديد الخارطة الوراثية لكل منها باستخدام التتابع الجيني Gen seqenses وهذا غير ممكن بالامكانيات المتوفرة لنا حالياً.

الجدول (1) يمثل عدد الحزم وأوزانها الجزيئية للمضائف المختلفة في الدراسة باستخدام البيانات الست.

نوع المضيف	نوع البادئ	عدد الحزم	الوزن الجزيئي bp
الإنسان	البادئ (OPE – 07)	4	650, 500, 450,400
	البادئ (OPF – 13)	5	750,650,500,300,250
	البادئ (OPA – 01)	–	–
	البادئ (OPF – 19)	3	550,450,350
	البادئ (OPC – 10)	4	900,700,600,500
	البادئ (OPF – 16)	2	1100,750
الأغنام	البادئ (OPE – 07)	4	500,450,300,200
	البادئ (OPF – 13)	4	750,400,300,200
	البادئ (OPA – 01)	5	850,700,600,350,250
	البادئ (OPF – 19)	1	500
	البادئ (OPC – 10)	3	950,650,550
	البادئ (OPF – 16)	4	750,500,400,300
الأبقار	البادئ (OPE – 07)	4	500,450,350,250
	البادئ (OPF – 13)	6	700,600,450,350,270,200
	البادئ (OPA – 01)	2	350,220
	البادئ (OPF – 19)	3	500,300,250
	البادئ (OPC – 10)	-	-
	البادئ (OPF – 16)	2	300,220
الجمال	البادئ (OPE – 07)	-	-
	البادئ (OPF – 13)	-	-
	البادئ (OPA – 01)	-	-
	البادئ (OPF – 19)	1	1300
	البادئ (OPC – 10)	1	1300
	البادئ (OPF – 16)	2	600,500

polymorphic DNA in human .
Analytical Biochemistry. 230:92-100.

المصادر

- 8) Smith, E.J.; Jones, C.P.; Bartlett, J. and Nestor, K.E.; (1996). Use of randomly amplified polymorphic DNA markers for the genetic analysis of relatedness and diversity in chickens and turkeys. Poul. Sci. 75:579-584.
- 9) Kong, R. ; Tzeng, D. D. and Yang, H. (2001) . Generation of PCR based DNA fragments for specific detection of streptomyces saraceticus. Proc. Natl. Sci. Coun. Roc (B). 25 (2):119–127 .
- 10) Turcekova, L.; Snabel, V.; D'Amelio, S.; Busi, M. and Dubinsky, P. (2003). Genetic variants of Echinococcus granulosus in Slovakia recorded by random
- 11) Hanfi, R.; Barhoumi, M.; Ali, S.-B.; Guizani, I. (2001). Molecular analyses of world Leishmania RAPD markers and development of PCR Assays selective of parasites of the L. donovani species complex .Exp- parasite .Jun ;98(2):90-9.
- 12) Shock, A.; Inns, E.-A.; Ymane, I.; Latham, S.-M.; Wastling, J.- M. (2000). Genetic and biological diversity among isolates of Neospora caninum. Parasitology. Jul; 123(pt):13-23.
- 13) Scott, J.C. and Mcmanus, D.P. (1994). The random amplification of polymorphic DNA can discriminate species and strains of Echinococcus .Troical Medicine Paraitology 45,1-4.
- 14) Ortona, E.; Margutti, P.; Rigano, A. (1996). Genetic variability in Italian sheep isolates of echinococcus granulosus .Appl-parasitol .Sep;37(3):205-8.
- 1) Mathis A., Wild P., Boettger E., Kapel, M., Deplazzes. (2005). Mitochondrial ribosome as the target for the macrolide antibiotic in E. multilocularis. ANTIMICROB. AGENTS & CHEMOTHER. 49:3251-3255.
- 2) Nepalla, S., A, Joshi, A. Shende, S. S. Sharma (2006). Management of echinococcosis. J. Assoc. Physicians India 54, 458-462.
- 3) Heath, D.D.; Jensen, O. and Lightowers, M. W. (2003). Progress in control of hydatidosis using vaccination a review of formulation and delivery of the vaccine and recommendations for piratical use in control programmes .Acta. Trop. 85(2):133-143.
- 4) Williams, J.G.K.; Kubelik, A.R.; Livak K.J.; Rafalski, J.A. and Tingey, S.V. (1990) .DNA polymorphisms amplified by arbitrary primers and useful as genetic markers. Nucleic acid Research .18:6531-6535.
- 5) Welsh, J. and McClelland, M. (1990). Fingerprinting genomes using PCR with arbitrary primers. Nucleic Acids Reserch. 18:7218-7218.
- 6) Innis, M.A. and Gelfand, D.H. (1990). Optimization of PCR .Basic methodology. Part one .In PCR protocols, Innis, M.A.; Gelfand, D.H.; Sninsky, J.J. and White, T.J. (eds) Academic Press. Inc. London
- 7) Benter, T.; Papadopoulos, S.; Pape, M.; Manns, M.; and Poliwoda, I. (1995). Optimization and reproducibility of random amplified

- 20)Ahmed, F.(1999).Random amplified polymorphic DNA (RAPD).analysis reveals genetic relationships among the annuale cicer species .Theor.Appl. Genet. 98:657-663.
- 21)Fristich, P.; Hanson,M.A.; Spore, C.D.; Pack, P.E. and Risebewrg, L. H.(1993). Constancy of RAPD primer amplification strength among distantly related taxon of flowering plants.plant Mol. Biol.Rep.11:10-20.
- 22)Thompson, C.H., (1979). Biology and Speciation of *E. granulosus*. Aust. Vet.J., 55: 93-98.
- 23)Stefanic S., shaikenov B.S., deplazeS P., dinkel anke,torgerson P.R., mathis A., (2004). Polymerase chain reaction for detection of patent infections of *Echinococcus granulosus* (sheep strain) in naturally infected dogs, Parasitology Research, 92, 347-351.
- 24)Sanchez, O. Caceres, C. Naquirel, D. Garcia, G. Patino, H. Silvia, A. C. Volotao and O. Fernandez,(2010) "Molecular Characterization of *Echinococcus granulosus* from Peru by Equencing of the Mitochondrial Cytochrome c Oxi- dase Subunit 1 Gene," *Memórias do Instituto Oswaldo Cruz*, Vol. 105, No. 6, , pp. 806-810.
- 15)Reddy, Y-A:Rao,-J-R: Butchaiah, -G: Sharma, -B.(1998).Random amplified polymorphic DNA for the specific detection of bulaline Echinococcus.
- 16)Slies-Lucas , -M;Felleise, -R;Custa-Bandera, -C ;Gottstein , B; Eckert, -J.(1994).Comparative gentic analysis of Swiss and Spanish isolates of *Echinococcus granulosus* by southern hybridization and random amplified polymorphic DNA technique.Appl-Parasitol. Jun;35(2):107-17.
- 17)Smyth, J.D., (1985). *In vitro* culture of *Echinococcus Spp*. In: Proceedings of the 13th ed. Int. Conger. Hydatidol. Madrid, 84-89.
- 18)Williams, C.E. and St-Clair, D.A.(1993).Phenetic relationship and level of varipblilty detected by restruction fragment length polymorphism and random amplified DNA analysis of cultivated and wild accessions of lycopersiscan esculentum. Genome.36:619-630.
- 19)دراسة (2005) الربيعي, سلوى صبر محسن إبراهيم(وراثية وشكلية للرؤيسات الأولية المستأصلة من مصادر مختلفة (بشرية وحيوانية). أطروحة صفحة 16.دكتوراه,كلية العلوم,جامعة بغداد:

***Identify genetic variation for parasite strains of *Echinococcus granulosus* in humans and some intermedete host by using the polymerase chain reaction (PCR)**

Receved :10/3/2014

Noor ayed maya

Noorr803@yahoo.com

Accepted :26/5/2014

Hadi mdlol hamza

Hadihamza519@yahoo.com

Abstract

Aneighteen of human hydatidosis sample were collected (18) the period of study from November 2012 until July 2013 during a surgical procedure for patients with study was recored 5.50%, examined previous samples using the technique of the amplified (RAPD) Random amplified polymorphic DNA to determine the genetic variation between strins using random primers are 6 (OPE - 07 OPF - 13 and OPF - 19 and OPC-10 and OPF _16 and OPA -01) detecting

genetic variation between samples through the presence or absence of serial packages DNA in the samples studied have shown the following prefixes -The ability of the primer (OPE - 07) to determine the DNA samples for the DNA of the hydatid diseases Aladrah excised from human liver when molecular weight 400bp and 650bp as an indicator of genetically excised samples of human liver did not appear in other samples Alamadaúv. -The ability of the primer (OPF - 13) to determine the DNA nucleic acid DNA in bags Aladrah to human liver when molecular weight 300bp and 500bp appeared in samples where the man did not appear in other samples Alamadaúv-The ability of the primer (OPC - 10) to determine the DNA nucleic acid DNA of bags Aladrah to human liver when molecular weight 500bp, 600bp, 700bp, 900bp, where the samples did not appear to Amadaúv other

-Non ability of primer (OPF - 19, OPA - 01, OPF - 16) to determine any genetic fingerprint template is similar to DNA in human samples

-Ability the primer (OPE - 07) to determine the DNA nucleic acid DNA in sheep when the molecular weight 200bp, 300bp, 500bp In Alabakarand molecular Hydatid diseases , fingerprints, Random amplifie weight 500bp was unable to identify any imprint hereditary in beauty and this is this signatures are fingerprints especially this Alamadaúv only possible which set them apart from the other samples studied.

-Ability primer (OPF - 13) to determine the DNA nucleic acid DNA and excised from the livers of sheep when the molecular weight 300bp, 200bp, 400bp, 750bp and in cows 200bp,, 600bp, 700bp and was unable to identify any imprint hereditary in the DNA samples of the bags Aladrah excised of beauty.

-Ability primer (OPF - 19) to determine the DNA nucleic acid DNA of bags Aladrah excised from the liver of sheep at 500bp at the molecular weight 300bp and 500bp and beauty at 1300bp.

-Ability the primer (OPC - 10) to determine the DNA in the beauty at 1300bp and was unable to identify any genetic imprint in cattle and sheep.

-Ability the primer (OPF_ 16) to determine the DNA nucleic acid of the bags Aladrah in sheep when the molecular weight 300bp, 400bp, 500bp and 300bp when cows and camels at 500bp 600bp.

Finally, the study showed that the strains that affect humans have come from sheep and cows exclusively to the presence of fingerprints and genetic are shared between them can be detected using the initiators of OPE - 07 at the molecular weight 500bp and OPF - 13 at the molecular weight 300bp only, but this needs to be a larger study using the relay genetic Gen seqenses and all other pets near human.

Key word : hydatidosis , detecting genetic variation DNA

*The research is apart of on msc thesis in the case of the second research.