

تقييم اداء عدة تراكيب وراثية من الحبة الحلوة *Foeniculum vulgare*

علي فدعم عبدالله المحمدي¹ ناظم يونس الزوبعي² اسامة حسين مهدي³
 1- استاذ مساعد، مركز دراسات الصحراء\ جامعة الانبار- الرمادي- العراق 2- استاذ مساعد\ قسم علوم المحاصيل الحقلية\ كلية الزراعة\ جامعة بغداد- العراق 3- مدرس\ قسم علوم المحاصيل الحقلية\ كلية الزراعة\ جامعة الانبار- الرمادي العراق.

الملخص

تعد الحبة الحلوة نبات عشبي تتبع العائلة المظلية وتستخدم كنبات تابل وطبي. نفذت تجربة اختبار حقلية لموسمين متعاقبين 2011\2012 و 2012\2013 باستخدام اربعة تراكيب وراثية لتقييم طبيعة ودرجة التغيير لهذه التراكيب الوراثية باعتماد بعض الصفات الحقلية للحبة الحلوة. فقد توزعت التراكيب الوراثية عشوائيا ضمن تصميم القطاعات العشوائية الكاملة بثلاثة مكررات. اشار تحليل التباين الى اختلافات عالية المعنوية بين التراكيب الوراثية في كل الصفات المدروسة. اذ تفوق التركيب الوراثي Amego في متوسط عدد الافرع 13.67 فرع نبات⁻¹ (الموسم الاول) وعدد النورات الثانوية 29.00 و 51.00 نورة ثانوية. نورة رئيسية⁻¹ ووزن النورة الرئيسية 42.67 و 36.00 غم وقطر النورة الرئيسية 13.33 و 16.67 سم وارتفاع النبات 145.00 و 148.3 سم لكلا الموسمين بالترتيب. بيد ان التركيب الوراثي Romanesco تفوق في عدد النورات الرئيسية 22.00 و 23.67 نورة رئيسية. نبات⁻¹، و عدد الافرع في الموسم الثاني (17.00 فرع. نبات⁻¹). ان اكبر قيم لمعامل التباين الوراثي والمظهري قد سجلت لصفات وزن النورة الرئيسية 36 و 36.42، تبعة ارتفاع النبات 31.40 و 31.51 ثم عدد الافرع بالنبات 30.82 و 31.17 لكل منهما بالترتيب في الموسم الاول. اما في الموسم الثاني فقد سجل اعلى معامل للتباين الوراثي والمظهري لعدد النورات الثانوية بلغا 52.83 و 53.16 ثم عدد الافرع بالنبات بلغا 45.00 و 45.30 لكل منهما بالترتيب. لقد سجلت اعلى نسبة توريث لارتفاع النبات بلغت 99.18 تلتها عدد الافرع 97.74 ثم وزن النورة 97.73 في الموسم الاول. بينما في الموسم الثاني فقد اعطت عدد النورات الثانوية اعلى نسبة توريث بلغت 98.79، تلتها عدد الافرع 98.69 ثم ارتفاع النبات 98.58. قد تستخدم هذه النتائج ف لتمييز التركيب الوراثي الافضل ووضع برنامج تربية للتحسين اذ ان الانتخاب المظهري لهذه الصفات قد يكون فعال في تحسين تلك الصفات.

Performance assessment of some fennel *Foeniculum vulgare* Mill genotypes

Ali F.A.Almehemdi^{1*} Nadhim Y.Alzobay² Usama H.Mheidi³
 Assist. Prof. Center of Desert Studies, University of Anbar, IRAQ. 2-Assist. Prof. Dept. of Field Crops Sciences, College of Agriculture, University of Baghdad, Baghdad, IRAQ.
 *Correspondence author

Abstract

Fennel is considered as herbaceous crop belonging to apiaceae which used as spicy and medicinal plants. Field test experiment was conducted out for two successive seasons of 2011/2012 and 2012/2013 using four genotypes of fennel to assess the nature and extend of variability of these genotypes via some agronomical traits. Genotypes were randomly distributed underwith completely randomized block design with three replicates. Analysis of variance showed highly significant differences among genotypes in all traits. Where, genotype Amego was superior in average of branches per plant of 13.67 branch.plant⁻¹ (for first season), umbellets per umbel of 29.00 and 51.00 umbellets. Umbel⁻¹, weight of umbel of 42.67 and 36.00 gm, diameter of umbel of 13.33 and 16.67 cm and plant height of 145.00 and 148.3 cm, for each season, respectively. Whereas, Romanesco gave highest average of umbel of 22.00 and 23.67 umbel.plant⁻¹ and branches no. of 17.00 branch. plant⁻¹ (for second season). Highest GCV and PCV were recorded for weight of umbel of 36.00 and 36.42 followed by plant height of 31.40 and 31.51 consequenced by number of branches of 30.82 and 31.17, in first season, for each coefficient, respectively. In second season, highest GCV and PCV were registered in umbellets no. of 52.83 and 53.16 followed by branches no. of 45.00 and 45.30. Furthermore, superior heritability was noticed in

plant height of 99.18 consequenced by branch no. of 97.74 and umbel weight of 97.73, for first season. While in second season, the highest heritability was observed in umbellets no. of 98.79 followed by branches no. of 98.69 and plant height of 98.58. These results could be used in genetic diversity to identify genotypes and plan a breeding programme to improve these genotypes. Where, morphological selection could be effective to improve some traits of fennel.

المقدمة

تعد الحبة الحلوة *Foeniculum vulgare* من محاصيل التوابل الرئيسية. فهي تتبع العائلة المظلية *apiaceae*. والتلقيح خلطي فيها. يعتمد تحسين محصول ما على سعة التباين الوراثي ودرجة انتقال الصفات من جيل الى اخر فضلا عن معرفة مدى الترابط بين الحاصل ومكوناته فهي ذات قيمة كبيرة في وضع برامج تربية لذلك المحصول. ان معاملي التباين الوراثي والمظهري قد يساهمان في الوصول الى التباين الوراثي لتلك الصفات ذات التباين العالي مع تقدم وراثي معتدل او كبير لاتخاذ قرار الانتخاب. لقد بين *Yogi* وآخرون (2013) تباين معنوي بين اصناف من الحبة الحلوة، فقد لاحظ تباين وراثي ومظهري في عدد الايام حتى تزهير 50% من النباتات ، ارتفاع النبات، الافرع، النورات الرئيسية والثانوية والزيت الكلي. كما اشار *Rawat* وآخرون (2013) الى وجود تباين عالي في كل صفات الحبة الحلوة المدروسة فقد كان التباين المظهري فيها اكبر من التباين الوراثي. ان كان اكبر معامل تباين وراثي في حاصل النبات 40.27 تلاه حاصل البذور بالهكتار 32.40 قطار. هـ¹. كذلك حلل *Yadav* وآخرون (2013) التباين لتسع صفات في 25 تركيب وراثي من الحبة الحلوة مظهرا ارتفاع معاملا التباين الوراثي والمظهري لحاصل البذور بالنبات، وزن البذور بالنورة الرئيسية، عدد النورات الرئيسية بالنبات، عدد الافرع بالنبات وعدد النورات الثانوية بالنورة الرئيسية وارتفاع النبات، فقد اكدوا على هذه الصفات عند الانتخاب لحاصل البذور. لقد بذلت جهود قليلة جدا لتحسين الحبة الحلوة وراثيا. ان من الصعب الحكم فيما اذا لوحظ توارث التباين بسبب ان اغلب صفات الحاصل تورث كميا وتتأثر بالبيئة بدرجة كبيرة. لذا فان دراسة معاملي التباين الوراثي والمظهري، التقدم الوراثي والتحصيل الوراثي ونسبة التوريث تعد مفيدة في فهم توارث صفات مختلفة. لقد وجد *Abou-El-Nasr* وآخرون (2013) اختلافات معنوية عالية في كل الصفات المدروسة لثلاثة اصناف من الحبة الحلوة (هولندي وهندي ومحلي). ان سجل اعلى تقدم وراثي في الصنف الهولندي تبعه الصنفان المحلي والهندي. اما في دراسة الارتباط الوراثي والمظهري فقد لاحظ *Singh* وآخرون (2015) ارتفاع معاملات الارتباط الوراثي اكبر من معاملات الارتباط المظهري في صفات الكزبرة المدروسة بسبب التأثير الخفي للتركيبة الوراثية في تلك الصفات فقد اظهر حاصل البذور بالنبات ارتباط موجب المعنوية مع عدد الثمار بالنورة الرئيسية. وعلى نفس المحصول وجد *Abou-El-Nasr* وآخرون (2013) ان نسبة التوريث

والتقدم الوراثي كانا مرتفعين لحاصل الثمار والنمو الخطي وارتفاع النبات للصنفين الروسي والمحلي. لقد قيم *Sengupta* وآخرون (2014) ثلاثة عشرة تركيا وراثيا من الحبة الحلوة فقد اشار تحليل التباين الى وجود تباعد وراثي بين التراكيب الوراثية. ان كانت معاملات التباين المظهري اكبر من معاملات التباين الوراثي لكل الصفات المدروسة. بينما على نبات الكمون فقد اشار *Dhayal* وآخرون (1999) الى ارتفاع معاملات التباين الوراثي والمظهري ونسبة التوريث والتقدم الوراثي لصفات ارتفاع النبات وعدد النورات بالنبات و عدد الثمار بالنورة في تسعة تراكيب وراثية. ان اقترحوا للدور المحتمل للجين المضيف في تعبير الصفات. لقد لاحظ *Bairwa* وآخرون (2015) على 160 تركيب وراثي من نفس المحصول اعلى معامل تباين وراثي لحاصل الثمار تبعه ارتفاع النبات وعدد الافرع الاولى. كما كانت نسبة التوريث عالية لحاصل الثمار وارتفاع النبات. ان اقترحوا ان الانتخاب المظهري لحاصل الثمار قد يكون فعال في تحسين الكمون. كما بين *Bozokalfa* وآخرون (2010) ان معاملات التباين المظهري لستة وعشرين تركيب وراثي من الجرجير كانت عالي وان نسبة التوريث تجاوزت 65% لكل الصفات. فقد اظهرت النتائج امكانية استخدام وزن النبات وعرض الكبسولة وعدد البذور بالكبسولة كادوات انتخابية لتحسين الجرجير. لقد حصل *Ibrahim* وآخرون (2011) على اعلى معاملات للتباين الوراثي والتقدم الوراثي ونسبة التوريث لوزن الساق الجاف والنمو الخطي ووزن العشب الجاف ووزن الاوراق الجاف في خمسة عشرة تركيا وراثيا من الريحان الحلوة. بدأ استنتاج اهمية حاصل العشب الجاف ومحتوى الزيت الطيار كمعيارين للانتخاب لتحسين حاصل الزيت في الريحان الحلوة. قد تمتلك بعض مكونات الزيت الطيار معاملات تباين وراثي عالية فقد وجد *Kumar* وآخرون (2014) ارتفاع معاملات التباين الوراثي والتقدم الوراثي لمركبات *pulegone* متبوعا بمركب *menthofuran* فمركب *1,8-cineole* في ثمان ذريات نصف اخوية *half-sib*. لذا تهدف الدراسة الى تقييم عدة تراكيب وراثية من الحبة الحلوة بتقييم التغير الوراثي بين اربعة تراكيب وراثية ثلاثة منها مدخلة وواحد محلي على اساس بعض الصفات الشكلية باستخلاص المعلومات عن طبيعة ومقدار ذلك التغير.

المواد وطرائق البحث

نفذت تجربة حقلي لموسمين متعاقبين 2011-2012 و 2012-2013 في احد الحقول الخاصة في مدينة الفلوجة (66 كم غرب بغداد) التابعة لمحافظة الانبار في تربة مزيجة طينية. لمقارنة اربعة تراكيب وراثية (جدول 1) وزعت عشوائيا في تصميم

$$\delta^2 G = (MSG - MSE) / R$$

$$\delta^2 E = MSE$$

$$1. PCV = \sqrt{P^2 / \bar{y}} \dots \dots \dots 1$$

اذ ان $\bar{y}$ قيمة المتوسط العام للصفة.
 $\delta^2 P$ تمثل التباين المظهري. PCV تمثل معامل الاختلاف المظهري.

$$2. GCV = \sqrt{G^2 / \bar{y}} \dots \dots \dots 2$$

اذ ان $\delta^2 G$ تمثل التباين الوراثي.
 GCV تمثل معامل الاختلاف الوراثي.

$$3. h_{b.s} = (B^2 G / \delta^2 P) \times 100 \dots \dots \dots 3$$

اذ ان $h_{b.s}$ نسبة التوريث بمعناها
 الواسع و $\delta^2 G$ التباين الوراثي و $\delta^2 P$ التباين المظهري.

القطاعات العشوائية الكاملة بثلاثة مكررات. اذ قسمت كل وحدة تجريبية الى اربعة مروز. زرعت بذور كل تركيب وراثي بتاريخ 2011\11\5 و 2012\11\6 لكلا الموسمين. فقد كانت ابعاد الزراعة (بين مرز وآخر ونبات وآخر) 25 x 45 سم. طبقت عمليات خدمة المحصول طبقاً لحزمة التوصيات الخاصة بالمحصول. كما اتبعت عمليات التعشيب والري كلما دعت الحاجة. دونت بيانات لخمس نباتات اختيرت عشوائياً من كل لوح تجريبي لستة صفات هي عدد الافرع بالنبات وعدد النورات الرئيسية بالنبات وعدد النورات الثانوية بالنورة الرئيسية ووزن النورة الرئيسية (غم) وقطر النورة الرئيسية (سم) وارتفاع النبات (سم). حلت البيانات واختيرت المتوسطات باستخدام برنامج excel (word 2007).

لحساب معامل التباين المظهري، اتبعت المعادلة 1 ولتقدير معامل الاختلاف الوراثي طبق المعادلة 2 ولاستخراج نسبة التوريث بالمعنى الواسع طبقت المعادلة 3 (Johnson وآخرون، 1955).

جدول 1. بعض المعلومات التاريخية للتراكيب الوراثية.

التركيب الوراثي	الاصل	بلد الزراعة	المدخل
Amego	تراكيب وراثية فرنسية	بولندا	الباحث الاول في عام 2010
Di Firenze			
Romanesco			
دولاب (Dollap)	العراق (محلي)	العراق	منزوع في ناحية الدولاب 167 كم شمال غرب بغداد

النتائج والمناقشة

طبق تحليل التباين لتجزئة التباين الى مكوناته بين التراكيب الوراثية للحبة الحلوة. فقد اظهر تحليل التباين ان متوسط المربعات لتباين ست صفات كانت معنوية (جدول 2 و 3). اذ امتلكت التراكيب الوراثية تباينات معنوية عند مستوى احتمال ($P < 0.01$) في كلا الموسمين. اذ اعطى التركيب الوراثي Amego اعلى متوسط لعدد الافرع 13.67 فرع نبات¹ (الموسم الاول) وعدد النورات الثانوية 29.00 و 51.00 نورة ثانوية. نورة رئيسية¹ ووزن النورة الرئيسية 42.67 و 36.00 غم وقطر النورة الرئيسية 13.33 و 16.67 سم وارتفاع النبات 145.00 و 148.3 سم لكلا الموسمين بالترتيب. بيد ان التركيب الوراثي Romanesco تفوق في عدد النورات الرئيسية 22.00 و 23.67 نورة رئيسية. نبات¹، وقد تفوق في عدد الافرع في الموسم الثاني (17.00 فرع نبات¹). ان درجة التغير variability باعتماد المدى ومتوسط معاملي التباين المظهري والوراثي ونسبة التوريث مشار إليها في جدولي 2 و 3. فقد بينت نتائج متوسط اداء التراكيب الوراثية ضمن السنوات ان قيم المتوسطات اختلفت لكل الصفات بين التراكيب الوراثية في كلا الموسمين مؤكدا ان تحليل التباين قد عكس اصل المادة الوراثية المختلفة للتراكيب الوراثية

وتداخلها في التباين الموسمي (AbouEl-Nasr وآخرون، 2013). لقد كانت قيم معامل الاختلاف المظهري قريبة جدا من معامل الاختلاف الوراثي لكل الصفات وفي كلا الموسمين عدا قطر النورة الرئيسية في الموسمين فقد كانا متباعدين (12.67 و 5.59 لمعامل التباين الوراثي و 34.76 و 18.62 لمعامل الاختلاف المظهري لكلا الموسمين بالترتيب). لكن مقدار معامل الاختلاف المظهري كان اكبر من معامل الاختلاف الوراثي لكل الصفات وفي كلا الموسمين. اشارت نتائج جدول 2 و 3 ان اكبر قيم لمعاملي الاختلاف الوراثي والمظهري قد سجلت لصفات وزن النورة الرئيسية 36 و 36.42، تبعه ارتفاع النبات 31.40 و 31.51 ثم عدد الافرع بالنبات 30.82 و 31.17 لكل منهما بالترتيب في الموسم الاول. بينما سجلت اقل معاملي للاختلاف الوراثي والمظهري لقطر النورة الرئيسية 5.59 و 18.62 لكل منهما بالترتيب.

اما في الموسم الثاني فقد سجل اعلى معاملي للاختلاف الوراثي والمظهري لعدد النورات الثانوية بلغا 52.83 و 53.16 ثم عدد الافرع بالنبات بلغا 45.00 و 45.30 لكل منهما بالترتيب. بينما اعطى قطر النورة الرئيسية اقل معامل اختلاف وراثي

تكون الصفات مختلفة ضمن التراكيب الوراثية حقيقة لا احصائيا ووارثيا في طبيعته وانخفاض تأثير البيئة (Yadav وآخرون، 2013 و Abou El-Nasr وآخرون، 2013 و Yogi وآخرون، 2013). لذا يمكن الاعتماد على هذه الصفات كادوات انتخابية اعتمادا على التعبير المظهري للصفة. إذ قد تكون بعض الصفات تحت تأثير الجين المضيف (Rawat وآخرون، 2013). لذا قد يكون الانتخاب على أساس هذه الصفات الطريق لتحسين تراكيب وراثية فائقة من الحبة الحلوة. ان تزامن ارتفاع نسبة التوريث مع التقدم الوراثي يعدان معلمان مهمان في الانتخاب لتحسين صفات معينة (AbouEl-Nasr وآخرون، 2013).

12.67. بيد ان وزن النورة الرئيسة سجل اقل معامل اختلاف مظهري 18.48. لقد سجلت اعلى نسبة توريث لارتفاع النبات بلغت 99.18 تلتها عدد الافرع 97.74 ثم وزن النورة 97.73 في الموسم الاول. بينما اعطى قطر النورة ادنى نسبة توريث بلغت 9.03. بينما في الموسم الثاني فقد اعطت عدد النورات الثانوية اعلى نسبة توريث بلغت 98.79، تلتها عدد الافرع 98.69 ثم ارتفاع النبات 98.58. بيد ان عدد النورات الرئيسة اعطت ادنى نسبة توريث 84.82. على اية حال فان نسبة التوريث كانت مرتفعة لكل الصفات في كلا الموسمين. إذ ان نسبة معامل الاختلاف المظهري تعزى الى معامل الاختلاف الوراثي وقد

جدول 2. تقدير تحليل التباين والمدى والمتوسط العام ومعامل الاختلاف الوراثي ونسبة التوريث بمعناها الواسع لبعض صفات الحبة الحلوة في الموسم 2011\2012

الصفات	المكررات	المعاملات	الخطأ	المدى	المتوسط العام	%GCV	%PCV	heritability
عدد الافرع	0.58	32.67	0.25	13.67-6	10.67	30.82	31.17	97.74
عدد النورات الرئيسة	1.08	74.08	1.75	22-11	17.92	27.41	28.38	93.23
عدد النورات الثانوية	0.58	45.67	1.25	29-20.33	24.83	15.49	16.14	92.22
وزن النورة الرئيسة	3.25	364.56	2.81	42.67-16	30.50	36	36.42	97.73
قطر النورة الرئيسة	0.27	5.72	4.41	13.33-10	11.83	5.59	18.61	9.03
ارتفاع النبات	27.08	3454.53	9.53	145-65	107.92	31.40	31.53	99.18

جدول 3. تقدير مكونات التباين والمدى والمتوسط العام ومعامل الاختلاف الوراثي ونسبة التوريث بمعناها الواسع لبعض صفات الحبة الحلوة في الموسم 2012\2013

الصفات	المكررات	المعاملات	الخطأ	المدى	المتوسط العام	%GCV	PCV %	Heritability
عدد الافرع	0.58	81.86	0.36	17-4.67	11.58	45.00	45.30	98.69
عدد النورات الرئيسة	4.08	88.31	4.97	23.67-10.67	17.42	30.26	32.86	84.82
عدد النورات الثانوية	2.58	686.97	2.81	51-18.67	28.58	52.83	53.16	98.79
وزن النورة الرئيسة	0.75	90.89	0.64	36-22.67	30.00	18.28	18.48	97.92
قطر النورة الرئيسة	0.08	54.22	1.97	16.67-8.67	11.83	12.67	34.76	89.83
ارتفاع النبات	0.33	3330.31	15.89	148.3-70	111.4	29.83	30.05	98.58

المصادر

- Abou El-Nasr, T.H.S., M.M. Ibrahim, K.A. Aboud and M.A.A. Al-Kordy. 2013. Genetic variation among three fennel (*Foeniculum vulgare* Mill.) varieties on the basis of morphological characters, essential oil composition and ISSR markers. J. Appl. Sci. Res. 9(3): 1594-1603.
- Bairwa, R. K., R. K. Solanki, Y. K. Sharma and R. S. Meena. 2015. Phenotypic variability in cumin (*Cuminum cyminum*

- Abou El-Nasr, T.H.S., M.M. Ibrahim, K.A. Aboud and Magda A.M. El-Enany. 2013. Assessment of Genetic Variability for Three Coriander (*Coriandrum sativum* L.) Cultivars Grown in Egypt, Using morphological Characters, Essential Oil Composition and ISSR Markers. World Appl. Sci. J. 25 (6): 839-849.

- Yogi, R, R. S. Meena, R. K. Kakani, Alka Panwar and R.K.Solanki.2013. Variability of some morphological characters in fennel (*Foeniculum vulgare* Mill). Intl .J. Seed Spices 3(1):41-43.
- L.) for important agro-morphological traits. Intern. J. Seed Spic. 5(1):68-70.
- Bozokalfa, M. K., D. E. Ilbi and T. K. Asciogul. 2010. Estimates of genetic variability and association studies in quantitative plant traits of *Eruca* spp. Landraces. Genet. 42(3): 501-512.
- Dhayal, L S, S C Bhargava and S C Mahala. 1999. Studies on variability in cumin (*Cuminum cyminum* L.) on normal and saline soil. J. Spic. Arom. Crops. 8 (2): 197-199.
- Ibrahim, M.M., K.A. Aboud and R.M. Hussein. 2011. Genetic variability and path coefficient analysis in sweet basil for oil yield and its components under organic agriculture conditions. J. Amer. Sci.7 (6):150-157.
- Johnson, H W, H. F. Robinson and R. E. Comstock.1955. Estimates of genetic and environmental variability in soyabean. Agron. J. 47: 314-318.
- Kumar, B., H. Mali and E. Gupta. 2014. Genetic Variability, Character Association, and Path Analysis for Economic Traits in Menthofuran Rich Half-Sib Seed Progeny of *Mentha piperita* L. BioMed. Res. Intern. 10:1-7.
- Rawat, S K, S Kumar and Y C Yadav.2013. Genetic evaluation for biometrical traits in fennel (*Foeniculum vulgare* Mill.).J. Spic. Arom. Crops. 22 (1): 85–87.
- Sengupta, S. K., B.K. Verma and A.K. Naidu. 2014. Genetic variability study in fennel (*Foeniculum valgare* MILL). Intern. Sci. J. 1(1): 62-64.
- Singh, B., K.P. Singh and S.K. Sengupta. 2015. Correlation analysis of traits in elite genotypes of coriander. SABRAO J. Breed. Genet. 47 (1):70-78.
- Yadav, P S, V P Pandey and Y Yadav.2013. Variability studies in fennel (*Foeniculum vulgare* Mill.).J. Spic. Arom. Crops. 22 (2): 203–208.