

## تحديد البعد الوراثي باستخدام مؤشرات التضاعف العشوائي المتعدد الأشكال لسلسلة DNA (RAPD) لطوافر الطماطة المنتخبة تحت الإجهاد الملحي

إياد وليد عبدالله الجبوري      خضير عباس علوان

### المخلص

أجري البحث في قسم البستنة وهندسة الحدائق/ كلية الزراعة/ جامعة بغداد للموسمين الزراعيين 2013 و 2014 لدراسة البعد الوراثي لطوافر الجيل الثاني التي تم اختبارها تحت ظروف الإجهاد الملحي المتمثلة ب 9A و 2SA+6A و 2SA و 4SA+3A أجري تحليل البعد الوراثي لهذه المنتخبات مع صنف الاصل باستخدام مؤشرات RAPD الجزيئية و H ظهرت النتائج مدى التشابه و الاختلاف بين الطوافر المنتخبة، إذ تبين ان اعلى نسبة للتشابه تقابل اقل بعداً وراثياً (0.20) بين المنتخبين 9A و 2SA+6A ثم البعد (0.50) بين المنتخبين 2SA و 4SA+3A وبينت النتائج أيضاً ان اعلى بعداً وراثياً كان بين الصنف Red stone وبين المنتخبات الأخرى بلغ (1.00) كذلك كان هناك بعد وراثي مماثل وبلغ (1.00) بين كل من 9A و 2SA و بين 9A و 4SA+3A، أيضاً بين 2SA و 2SA+6A، وكذلك وبين 2SA+6A و 4SA+6A

### المقدمة

تُعد تربية الطفرات قاعدة إستراتيجية اساس في استحثاث Induce صفة او صفتين بواسطة المطفرات الفيزيائية والكيميائية . تعرف الطفرة على انها اي تغيير وراثي يطرأ على المادتين الوراثيتين DNA او RNA للكائن الحي خلافاً للحالة الإعتيادية الذي قد يؤثر او لا يؤثر في طبيعة الوظائف البيولوجية لذلك الكائن كل من الساهوكي والفلاح (4). هناك العديد من الأصناف الطافرة مثبتة لدى المنظمة العالمية للطاقة الذرية IAEA ومنظمة الأغذية والزراعة العالمية FAO المتضمنة 534 صنفاً من الرز و 205 صنفاً حنطة و 71 صنفاً ذرة و 66 صنفاً من محاصيل الخضراوات و 59 نوعاً نباتياً من نباتات الزينة وغيرها من المحاصيل و يشار الى ان 70% منها أطلقت مباشرة كأصناف Cultivars مزروعة و 30% ادخلت في برامج التربية (التهجين) (10،12) Maluszynski وجماعته (10) Martin وجماعته (12). وهذه الأصناف مثبتة في قاعدة بيانات لدى IAEA /FAO (<https://MVDLiaea.org>).

ساعدت التقانات الإحيائية في إختصار الوقت والجهد والتكلفة على مربّي النبات في برامج التربية والتحسين في التشخيص المبكر للتركيب الوراثية ذات الصفات الواعدة لاسيما المحتملة منها للإجهاد الحيوي والاجهاد اللاحيوي ، إذ تُعد المؤشرات الجزيئية واحدة من اهم التقانات التي يمكن من خلالها الكشف عن التغيرات الوراثية على مستوى DNA. ومن هذه التقانات RFLP و RAPD و SSR و ISSR و AFLP و SNPs وغيرها من الطرق المستخدمة لدراسة البعد الوراثي والتمييز بين التركيب الوراثية وبين الأجناس المختلفة. من بين أكثر هذه التقانات إنتشاراً تقانة التضاعف العشوائي المتعدد الاشكال لسلسلة RAPD وذلك لأنها طريقة عامة وتعمل على التركيب الوراثية جميعها وتستخدم لتحليل الجينوم والخرائط الجزيئية و سريعة ولها القدرة على كشف التغيرات الوراثية الصغيرة نسبياً ولا تحتاج الى معرفة مسبقة عن الجينوم قيد البحث (8) أيضاً أظهرت تقانة RAPD في إمكان التعرف والإنتخاب للصفات المرتبطة بآلية التحمل بوصفها طريقة مساعدة لإنتخاب الصفات الكمية QTLs إذ ما عرفنا

جزء من اطروحة دكتوراه للباحث الاول.

كلية الزراعة، جامعة بغداد، بغداد، العراق.

إنّ الية التحمل هي متلازمة مركبة (Complex Syndrome) ناتجة من تداخلات لأعداد كبيرة من الجينات (مئات أو آلاف) تتحكم بعشرات الصفات المتباينة التأثير ومئات المركبات في النبات كل من الساهوكي والخفاجي (4) لذلك يكون تشخيص تلك الصفات QTLs من خلال المؤشرات الجزيئية هي الطريق السليم لتشخيص بعض الصفات او بعض المركبات المرتبطة بآلية التحمل للشد الملحي، استطاع Zahid وجماعته (17) تشخيص البعد والتقارب الوراثي بين خمسة أصناف من الحنطة اثنان متحملة للملوحة (دجلة والفرات) وثلاثة حساسة للملوحة ( تحدي وتموز 2 والنخوة) واستخدم 23 بادئاً فقط 15 منها أعطت أنماطاً متجانسة ومتغيرة ، وأظهر البادئان A11 و N16b أعلى قوة للتمييز في حين اعطى البادئ A11 أعلى قوة للتمييز بلغت 24.3% . استطاع Mansour وجماعته (11) اختبار 11 تركيباً وراثياً من الطماطة باستخدام تقنيتين RAPD و ISSR فأظهرت النتائج كفاءة هذه التقنية بتشخيص التراكيب المحتملة لاجهاد الحرارة.

## المواد وطرائق البحث

اجري البحث في قسم البستنة وهندسة الحدائق - كلية الزراعة - جامعة بغداد في أبي غريب للموسمين الزراعيين 2013 و 2014 . لاختبار البعد الوراثي لأربعة تراكيب وراثية تمثل الجيل الطفوري الثاني (M2) في نباتات الطماطة المعرضة للاجهاد الملحي المتمثلة بالطوافر 9A و 2SA+6A و 2SA و 4SA+3A كل من الجبوري وعلوان (1) اجري تحليل البعد الوراثي لهذه المنتخبات مع صنف الأصل. تم استخلاص الحامض النووي في وحدة أبحاث النخيل/قسم البستنة وهندسة الحدائق /كلية الزراعة /جامعة بغداد. تم عزل DNA وفقاً لطريقة Weigand وجماعته (16) المعتمدة على طريقة Sahgi- Maroof وجماعته (14)، وبعد الإستخلاص نقل سائل الإستخلاص المحتوي على مسحوق الأوراق إلى أنبوبة سعة 2مل ثم وضعت في حمام مائي على درجة حرارة 65م لمدة 30 دقيقة مع التحريك الهادئ لفصل الدهن والبروتين والبقايا النباتية عن الأحماض النووية . قيس التركيز والنقاوة باستخدام جهاز Nano drop المنتج من قبل شركة Bio Drop وبلغ تركيزه من 191 – 200 µg/ml ومعدل النقاوة 2 أجريت الاختبارات في مركز بحوث التقانات الإحيائية / قسم التقانات الإحيائية النباتية / جامعة النهرين في بغداد باستخدام الطريقة المرافقة مع العدة PCR PreMix<sup>®</sup> AccuPower المجهزة من شركة Bioneer . استخدمت خمسة عشر بادئاً المبينة في جدول (1) وابتاع خطوات التفاعل المبينة في (جدول2).

جدول1: يمثل بادئات مؤشرات RAPD

| البادئات المستخدمة في تفاعلات ال RAPD |         |                |
|---------------------------------------|---------|----------------|
| ت                                     | البادئ  | تتابعه (3 - 5) |
| 1                                     | OPI_06  | AAGGCGGCAG     |
| 2                                     | OPL_05  | ACGCAGGCAC     |
| 3                                     | OPJ_13  | CCACACTACC     |
| 4                                     | OPE_16  | GGTGACTGTT     |
| 5                                     | OPH-19  | CTGACCAGCC     |
| 6                                     | OPH-05  | AGTCGTCCCC     |
| 7                                     | OPH-4   | GGAAGTCGCC     |
| 8                                     | OPB-09  | TGGGGGACTC     |
| 9                                     | OPB-11  | GTAGACCCGT     |
| 10                                    | OPAD-14 | GAACGAGGGT     |
| 11                                    | OPAW-11 | CTGCCACGAG     |
| 12                                    | OPE12   | TTATCGCCCC     |
| 13                                    | OPF03   | CCTGATCACC     |
| 14                                    | OPH13   | GACGCCACAC     |
| 15                                    | S39     | CAAACGTCGG     |

## جدول 2: برنامج ظروف تفاعل PCR

| Step               | Temperature | Time  | No. of cycles |
|--------------------|-------------|-------|---------------|
| Pre - Denaturation | 94 °C       | 5 min | 1             |
| Denaturation       | 94 °C       | 1 min | 40            |
| Annealing          | 36°C        | 1 min |               |
| Extension          | 72 °C       | 2 min |               |
| Final Extension    | 72 °C       | 7 min | 1             |

## تحليل نتائج مؤشرات تباين أطوال قطع الدنا المتضاعفة

قُرئت كل هلامية من هلامات RAPD بتحويل نتائجها الى جداول توصيف وذلك بوضع 1 عند وجود الحزمة و 0 عند غيابها ولإيجاد العلاقة الوراثية بين الطوافر المنتخبة تم تحويل بيانات التوصيف (Characterization Data) الى قيم الاختلاف المقدرة إستناداً الى معادلة Nei و Lei (13) باستخدام جهاز الحاسوب الآلي وفق البرنامج الإحصائي STATISTICA ، الإصدار السادس (STATSOFT) V.6 ، 2003 ( وكما موضح في المعادلة التالية :-

$$\text{Genetic Distance} = 1 - (2 \times x \times y / n \times + n \times y)$$

إذ إن :-

Genetic Distance = البعد الوراثي

$n \times y$  = تمثل عدد الحزم المشتركة بين النموذجين x و y التي تمثل أيًا من النباتات المنتخبة .

$n \times x$  = عدد الحزم الكلية في النموذج x .

$n \times y$  = عدد الحزم الكلية في النموذج y .

رُسم مخطط البعد الوراثي بين الطوافر المنتخبة باستخدام طريقة

The un-weighted pair group method for the arithmetic average (UPGMA)

## النتائج والمناقشة

استخدم في الدراسة 15 بادئاً. إلا ان من بين هذه البادئات أربع منها أعطت حزمًا من DNA وهي OPI\_06 و OPE12 و OPH13 و S39 موضحة في الأشكال (2 و 3 و 4) ، واعتمدت نتائج مؤشرات RAPD على الاختلافات في عدد الحزم المتضاعفة باختلاف البادئ المستخدم الناتجة من الاختلاف في عدد المواقع المكملية لذلك البادئ في مجين كل نبات من النباتات ، في هذه الدراسة اعتمدت طريقة تحليل نتائج دراسة العلاقة الوراثية على وجود أو غياب الحزم الناتجة من تضاعف قطع معينة من مجين النباتات المستخدمة وعلى الأوزان الجزئية لتلك الحزم التي تعتمد على العدد والمواقع المكملية لتسلسلات البادئات على شريط DNA. كما ذكر حسين (5). أظهرت نتائج جدول (3) مدى البعد الوراثي بين الطوافر المنتخبة، إذ تبين ان أعلى نسبة للتشابه تقابل أقل بعداً وراثياً (0.20) بين المنتخبين 9A و 2SA+6A ثم البعد (0.50) بين المنتخبين 2SA و 4SA+3A ، وبينت النتائج أيضاً ان أعلى بعد وراثي كان بين الصنف Red stone وبين المنتخبات الأخرى بلغ (1.00) كذلك كان هناك بعد وراثي مماثل بلغ (1.00) بين كل من 9A و 2SA و بين 9A و 4SA+3A ، أيضاً بين 2SA و 2SA+6A ، وكذلك وبين 2SA+6A و 4SA+6A.

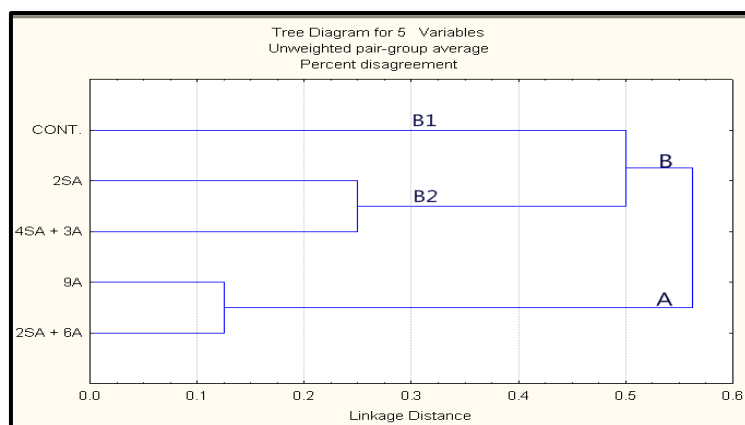
جدول 3: قيم البعد الوراثي بين الصنف Red stone والطوافر المنتخبة في الجيل (M2)

| التغايرات الوراثية | Red stone | 9A   | 2SA  | 2SA+6A | 4SA+3A |
|--------------------|-----------|------|------|--------|--------|
| Red stone          |           |      |      |        |        |
| 9A                 | 1.00      |      |      |        |        |
| 2SA                | 1.00      | 1.00 |      |        |        |
| 2SA+6A             | 1.00      | 0.20 | 1.00 |        |        |
| 4SA+3A             | 1.00      | 1.00 | 0.50 | 1.00   |        |

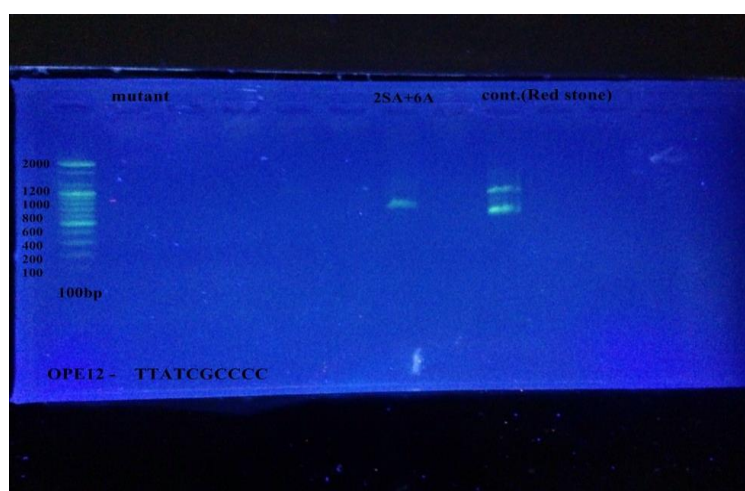
يرجع التباعد الوراثي هذا الى فعالية ازايد الصوديوم في احداث التغيرات الوراثية فهو أداة فعالة تعمل على إحداث طفرات مؤثرة في الجينوم النباتي مما يسهم في تحسين الصفات المهمة ومنها الحاصل و النوعية والمقاومة للأمراض وكذلك الاجهادات البيئية Adebola (7) و Khan و Goya (8) ايضا فأن للصعق الكهربائي تأثيراً واضحاً في احداث التغيرات الوراثية في النباتات من خلال العديد من الدراسات التي أجريت لاختبار النباتات المعاملة على المستوى الجزيئي وهذا يتفق مع كل من السامرائي (3) وعمران (6). استخدم في هذه الدراسة الخلط بين نوعين من المطفرات الفيزيائية المتمثل بالصعق الكهربائي والمطر الكيمائي المتمثل بأزايد الصوديوم ، إذ أظهر نتائجاً مهمة من خلال الصفات المتميزة للطافر المنتخبة 2SA+6A في الجيل الثاني (M2) التي حققت إرتفاع معنوياً في صفات النمو الخضري ومكونات الحاصل. يلاحظ في هذه الدراسة ان بعض البادئات ارتبطت مع DNA القالب لبعض الطوافر دون أخرى ربما يرجع هذا الى حدوث طفرات وتغيرات في الالبيلات التي لم ترتبط مع تسلسل قواعد البادئات .

كما ان هناك بادئات لم تعط نتائجاً رغم اعادتها أكثر من مرة ويتفق هذا مع دراسات أخرى لم تتوصل الى نتائج تضاعف عند تطبيق مؤشرات RAPD عند استخدام البادئات مع النخيل Sedar وجماعته (15) وفي نبات الشبوي وحلق السبع (2) وذلك بسبب غياب المواقع المكملية لتسلسلات تلك البادئات في الجينوم النباتي. تبين النتائج مدى فاعلية تقانة RAPD –PCR في الكشف عن التغيرات التي تحدثها المطفرات الفيزيائية والكيميائية في احداث التباين على مستوى DNA من خلال حدوث طفرات نقطية mutation Point سواءً كانت طفرات حذف ام حشر ام إعادة تنظيم الكروموسومات.

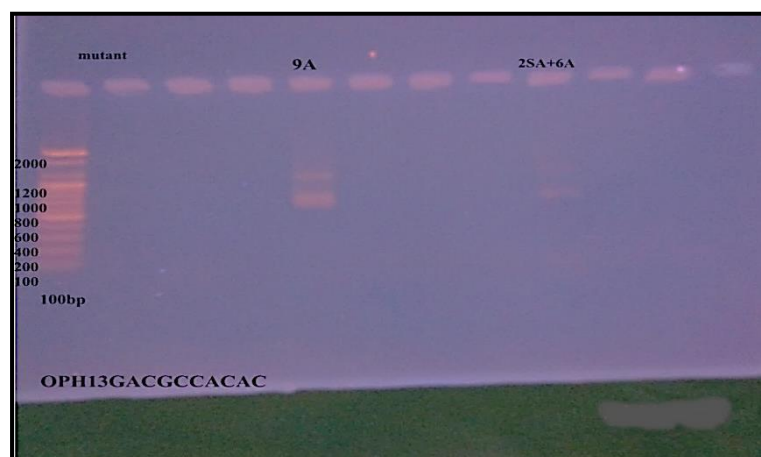
يُظهر مخطط الشجرة للعلاقة الوراثية Dendogram المعتمد على قيم البعد الوراثي باستخدام طريقة UPGMA (شكل 1) الذي اعتمد على نتائج مؤشرات RAPD التي استطاعت تمييز اربع طوافر هي 9A و 2SA و 2SA+6A و 4SA+3A فضلاً عن الصنف Red stone التي توزعت في مجموعتين رئيسيتين هما (A و B) تضمن العنقود A طافرين هما 9A و 2SA+6A الذي كانت افراده بعيدة عن صنف القياس. اما العنقود B فقسم الى عنقودين ثانويين هما B1 الذي ضم الصنفان Red Stone و B2 وشمل الطافران 2SA و 4SA+3A يبين المخطط ان الطافرين 9A و 2SA+6A هما أكثر قرباً من بعضهما كذلك كان الطافران 2SA و 4SA+3A أكثر قرباً، وان الطوافر في المجموعتين A و B هما أكثر بعداً وراثياً (الاشكال 2 و 3 و 4). نستنتج من هذه النتائج ان لعوامل التطفير المستخدمة الفيزيائية والكيميائية تأثير واضح في احداث التغير الوراثي ويرجع ذلك لما تحدثه هذه المطفرات من إضافة أو فقدان في القواعد النيتروجينية. تتفق هذه النتائج تتفق مع كل من حسين (2) و السامرائي (3).



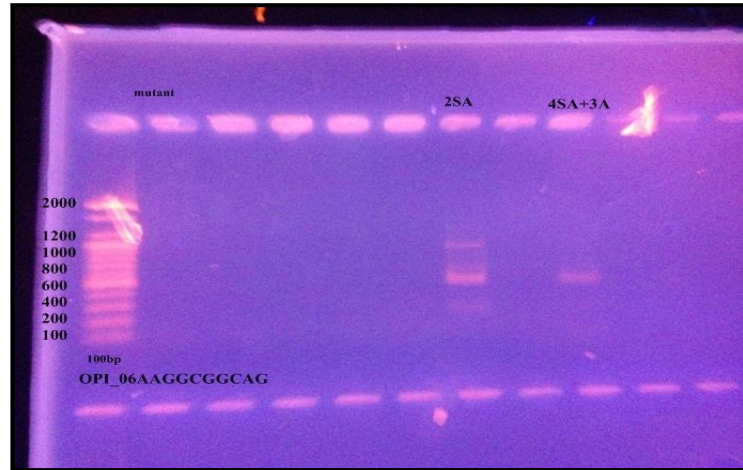
شكل 1: مخطط الشجرة للعلاقات الوراثية بين الطوافر المنتخبة المعتمدة على نتائج تحليل مؤشرات RAPD.



شكل 2: المؤشرات الجزيئية RAPD للطافر 9A و 2SA+6A مع البادئ OPH13.



شكل 3: مؤشرات الجزيئية RAPD التي أظهرت الحزم في الطافر 2SA+6A مع الصنف stone Red مع البادئ OPE 12.



شكل 4: المؤشرات الجزيئية RAPD للطافرين 2SA و 4SA+3A مع البادئ OPI 06.

## المصادر

- 1- الجبوري، اياد؛ عبدالله وخضير عباس علوان (2015). اختبار وتشخيص متغيرات وراثية في الطماطة بتأثير الصعق الكهربائي والصوديوم ازايد تحت ظروف الاجهاد الملحي(مؤشرات النمو الخضري والحاصل). مجلة العلوم الزراعية العراقية، 46(5): 802-812.
- 2- حسين، جنان قاسم (2007). تأثير الصعق الكهربائي في تغيرات النمو الخضري والزهرى و DNA بعض نباتات الزينة. اطروحة دكتوراه ، كلية الزراعة ، جامعة بغداد، العراق.
- 3- السامرائي، سارة خليل ابراهيم (2010). قوة الهجين وقابلية الأتلاف في قرع الكوسة واستجابته للصعق الكهربائي. رسالة ماجستير، كلية الزراعة، جامعة بغداد، العراق.
- 4- الساهوكي، مدحت مجيد وايوب عبيد الفلاحى (2009). تلنك: احدث تقنية تجمع بين الطفرات التقليدية والجينوم الفعالة، مجلة العلوم الزراعية العراقية، 40 (1) 25-1.
- 5- الساهوكي ، مدحت مجيد ومصطفى الخفاجي (2014). آليه تحمل النبات لشدة الملوحة. مجلة العلوم الزراعية العراقية، 45(5):438-430.
- 6- عمران، وفاء هادي حسون (2014). دور بعض العوامل الفيزيائية في مؤشرات الانبات والنمو والحاصل في الفلفل الحلو. اطروحة دكتوراه، كلية الزراعة، جامعة بغداد ،العراق.
- 7-Adebola, M.O. (2013). Mutagenic effect of sodium azide (NaN<sub>3</sub>) on morphologic characteristics of tomato *Lycopersicum esculentum*. The international J. RJSITM. 2 (4):1-5.
- 8-Khan, S. and S. Goyal (2009). Improvement of mungbean varieties through induced mutations. Afr. J. Plant Sci., 3: 174-180.
- 9-Korir, N.K.; X.Y. Li; X.P. Leng; Z. Wu; C. Wang and J.G. Fang (2013). Anvel and efficient strategy for practical identification of tomato (*Lycopersicon esculantum*) varieties using modified RAPD fingerprints Genetic and Molecular Res., 12(2):1816-1828.

- 10-Maluszynski, M.; K. Nichterlein; L. Van Zanten and B.S. Ahloowalia (2000). Officially released mutant varieties. the FAO/IAEA Database. Mutation Breeding Review, 12:1-84.
- 11- Mansour, A.; H.M. Ismail; M.F. Ramadan and G. Gyulai (2009). Variations in tomato(*Lycopersicon esculantum*) cultivars growth under heat tress. J. Verber. Lebensm. 4:118-127.
- 12-Martin, A.; J. Parry; J. Pippa; Madgwick, B. Carlos; T. Katie; H. Antonio; Marcela; R. Mariann; H. Walid; A. Adnan; O. Hssan, L. Mustapha and L. Andrew (2009). Mutation discovery for crop improvement. J. of Experiment. Botany, 60(10): 2817–2825.
- 13-Nei, M. and W.H. Lei (1979). Mathematical model for studying genetic variati in terms of restriction endonucleases. Proc. Natl. Acad. Sci. USA., 76:5269-5273.
- 14-Sahgi-Marooof, M.A.; K.M. Soliman; R.A. Jorgens and R.W. Allard (1984). Ribosomal DNA spacer lenth polymorphisms in barley. Proc. Natl. Acad. Sci. USA. 81: 8014 – 8018.
- 15-Sedra, M.H.; P. lashermer; P. Trouslot; M.C. Combes and S. Homan (1998). Identification and genetic diversity analysis of date palm (*Phoenix dactylifera* L.) varieties from Morocco using RAPD makers. Euphytica, 103:75 – 82.
- 16-Weigand, F.; M. Baum and S. Udupa (1993). DNA molecular marker techniques. Technical manual. No. 20 International Res. for Agric. Rea. in the Dry Areas, Aleppo, Syria.
- 17-Zahid, R.A.; I.I.H. Al-Mishhadani; S.N. Hmmed; D. Mysire; G.L. Aarf and S.M. Majeed (2011). Evaluation of Random Amplified Polymorphic DNA as a genetic Indicator of salt tolerance in Iraqi wheat. Tikrit J. of Pure Sci., 16 (4):12-18.

## **THE GENETIC DISTANCE USE RANDOM AMPLIFIED POLYMORPHIC DNA (RAPD) MARKERS FOR TOMATO MUTANT SELECTION UNDER SALT STRESS**

**A.W.A. Al-Juboori**

**Kh. A. Alwan**

### **ABSTRACT**

The study was conducted at the Department of Horticulture and Landscape Gardening, College of Agriculture, University of Baghdad during the growing seasons of 2013 and 2014 to study the genetic distance of selected mutants (M2) designated (9A , 2SA+6A , 2SA , 4SA+3A) under salt stress using the Random Amplified Polymorphic DNA (RAPD) markers. The analysis of the genetic distance of these selected mutants in addition to control plants was carried out. The results showed the similarities and differences between the selected mutants. The highest rate of similarity corresponds to less genetic distance (0.02) between select 9A, 2SA+6A and the distance 0.50 selected between 2SA and 4SA+3A. The results also showed that the highest genetic distance was among the Red Stone and among the other lines was (1) there was also a similar genetic distance (1.00) between 9A and 2SA and between 9A and 4A + 3A, also between 2SA and 2SA + 6A, as well as between SA + 6A and 4SA + 6A.